

Table DR-1 SHRIMP Analytical Data

Spot name	U (ppm)	Th (ppm)	Th U	Pb* (ppm)	²⁰⁴ Pb (ppb)	²⁰⁴ Pb ²⁰⁶ Pb	± ²⁰⁴ Pb ²⁰⁶ Pb	f(206) ²⁰⁴	²⁰⁸ Pb ²⁰⁶ Pb	± ²⁰⁸ Pb ²⁰⁶ Pb	²⁰⁷ Pb ²³⁵ U	± ²⁰⁷ Pb ²³⁵ U	²⁰⁶ Pb ²³⁸ U	± ²⁰⁶ Pb ²³⁸ U	Corr Coeff	²⁰⁷ Pb ²⁰⁶ Pb	± ²⁰⁷ Pb ²⁰⁶ Pb	²⁰⁶ Pb ²³⁸ U	± ²⁰⁶ Pb ²³⁸ U	²⁰⁷ Pb ²⁰⁶ Pb	± ²⁰⁷ Pb ²⁰⁶ Pb	PbDisc. (%)
Locality 8																						
AD-A																						
7499-8.1	576.9	36.6	0.066	106	1	0.0000133	0.0000112	0.00023	0.01942	0.00106	2.17115	0.04715	0.19424	0.00327	0.8435	0.08107	0.00095	1144.3	17.7	1223.1	23.3	6.4
ADA-9.1	212.5	90.8	0.4412	45	0	1.00E-05	3.55E-05	0.0002	0.13570	0.00272	2.19020	0.04603	0.20137	0.00328	0.8424	0.07888	0.00090	1182.7	17.6	1169.2	22.8	-1.2
ADA-9.2	2380.3	200.5	0.0870	283	82	3.18E-04	6.95E-06	0.0055	0.01933	0.00039	1.27500	0.02467	0.12648	0.00202	0.8837	0.07311	0.00067	767.8	11.6	1016.9	18.6	24.5
7499-10.1	927.5	207.4	0.231	186	2	0.0000139	0.0000074	0.00024	0.06907	0.00147	2.26417	0.03409	0.20238	0.00262	0.9112	0.08114	0.00051	1188.1	14.1	1224.9	12.3	3.0
7499-11.1	137.5	92.0	0.692	31	7	0.0002831	0.0000797	0.00491	0.22780	0.00765	2.31796	0.07472	0.20019	0.00370	0.6667	0.08398	0.00203	1176.3	19.9	1292.0	47.9	9.0
7499-11.2	2155.2	16.9	0.008	332	115	0.0003714	0.0000380	0.00644	-0.00031	0.00150	1.75337	0.04689	0.16663	0.00355	0.8612	0.07631	0.00105	993.5	19.7	1103.3	27.6	10.0
7499-11.3	172.9	19.8	0.119	30	8	0.0002869	0.0000947	0.00497	0.03731	0.00448	1.93699	0.06366	0.17834	0.00325	0.6504	0.07877	0.00198	1057.9	17.8	1166.4	50.7	9.3
ADA-15.1	737.5	45	0.0631	119	29	2.65E-04	3.77E-05	0.0046	0.01978	0.00153	1.874	0.03761	0.17005	0.00271	0.8595	0.07993	0.00083	1012.4	15	1195.2	20.5	15.3
ADA-15.2	501.5	97.9	0.2017	94	1	1.00E-05	1.00E-05	0.0002	0.06041	0.00076	2.0994	0.03554	0.19225	0.00299	0.9568	0.0792	0.00039	1133.6	16.2	1177.1	9.9	3.7
7499-18.1	551.0	29.6	0.055	107	1	0.0000148	0.0000181	0.00026	0.01800	0.00120	2.29257	0.03636	0.20533	0.00269	0.8850	0.08098	0.00060	1203.9	14.4	1221.0	14.7	1.4
ADA-20.1	1007.1	76.6	0.0785	195	13	7.25E-05	1.00E-05	0.0013	0.02366	0.00112	2.2954	0.03757	0.20366	0.00308	0.9590	0.08174	0.00038	1194.9	16.5	1239.4	9.2	3.6
ADA-20.2	799.4	24.2	0.0313	131	262	2.09E-03	6.53E-05	0.0362	0.00588	0.00277	1.8873	0.04315	0.1763	0.00279	0.7727	0.07764	0.00114	1046.7	15.3	1137.7	29.4	8
ADA-20.3	986	189.8	0.1989	177	39	2.55E-04	2.43E-05	0.0044	0.06914	0.00127	1.9706	0.03421	0.18136	0.00277	0.9280	0.0788	0.00051	1074.4	15.2	1167.2	13	7.9
7499-26.1	853.7	55.9	0.068	157	3	0.0000187	0.0000123	0.00032	0.01861	0.00091	2.12169	0.03146	0.19518	0.00248	0.9099	0.07884	0.00049	1149.4	13.4	1168.2	12.3	1.6
7499-27.1	350.7	26.7	0.079	69	2	0.0000333	0.0000296	0.00058	0.02366	0.00168	2.30181	0.04488	0.20765	0.00304	0.8223	0.08039	0.00090	1216.3	16.2	1206.7	22.2	-0.8
AD-B																						
7499-B18.1	259.1	93.6	0.373	52	1	0.0000214	0.0000181	0.00037	0.10029	0.00331	2.27070	0.04651	0.19736	0.00322	0.8608	0.08344	0.00088	1161.1	17.4	1279.6	20.6	9.3
7499-B5.1	669.4	193.1	0.298	104	319	0.0034036	0.0001587	0.05899	0.09107	0.00698	1.73803	0.07904	0.15366	0.00339	0.5875	0.08203	0.00304	921.4	19.0	1246.4	74.4	26.1
7499-B2.1	670.8	117.0	0.180	134	2	0.0000137	0.0000109	0.00024	0.05242	0.00155	2.26830	0.03752	0.20523	0.00283	0.8905	0.08016	0.00061	1203.3	15.1	1201.0	15.0	-0.2
7499-B13.1	1506.6	449.2	0.308	306	12	0.0000443	0.0000120	0.00077	0.09076	0.00155	2.21787	0.03477	0.20168	0.00288	0.9510	0.07976	0.00039	1184.3	15.5	1191.0	9.7	0.6
7499-B8.1	749.6	251.9	0.347	154	1	0.0000100	0.0000100	0.00017	0.10069	0.00219	2.20439	0.03294	0.20194	0.00258	0.9080	0.07917	0.00050	1185.8	13.9	1176.4	12.5	-0.8
7499-B1.1	991.4	167.9	0.175	194	6	0.0000324	0.0000132	0.00056	0.05056	0.00121	2.18953	0.03254	0.20134	0.00259	0.9170	0.07887	0.00047	1182.5	13.9	1168.9	11.9	-1.2
7499-B3.1	2408.6	27.8	0.012	326	104	0.0003439	0.0000285	0.00596	0.00512	0.00119	1.51544	0.03642	0.14582	0.00287	0.8779	0.07537	0.00087	877.5	16.1	1078.5	23.5	18.6
7499-B3.2	605.7	57.9	0.099	116	3	0.0000277	0.0000205	0.00048	0.02998	0.00154	2.19959	0.04025	0.19996	0.00286	0.8487	0.07978	0.00078	1175.1	15.4	1191.6	19.4	1.4
7499-B7.1	848.5	42.3	0.051	137	4	0.0000285	0.0000180	0.00049	0.01460	0.00098	1.78679	0.02987	0.17298	0.00239	0.8860	0.07492	0.00059	1028.5	13.2	1066.2	15.8	3.5
7499-B18.2	2401.8	46.7	0.020	289	237	0.0008769	0.0000439	0.01520	0.00820	0.00186	1.31664	0.02531	0.12929	0.00190	0.8333	0.07386	0.00079	783.8	10.8	1037.7	21.8	24.5
ADB-15.1	101.8	29.9	0.3031	19	0	1.00E-05	6.77E-05	2.00E-04	0.09456	0.02561	2.03828	0.80572	0.18872	0.04901	0.7399	0.07812	0.02099	1114.4	271.4	1150	653.5	3.1
ADB-15.2	2706.6	66.8	0.0255	321	15	5.23E-05	1.06E-05	9.00E-04	0.00983	0.00046	1.2953	0.02053	0.12736	0.00193	0.9815	0.07376	0.00023	772.8	11.1	1034.9	6.2	25.3
Locality 9																						
BM04-06B																						
06B1-7.1	1472	9	0.006	240	0	4.40E-07	6.27E-06	0.00001	0.0018	0.0003	1.804	0.021	0.1762	0.0018	0.9445	0.0743	0.0003	1046	10	1049	8	0.2
06B1-08.1	832	6	0.007	134	2	1.39E-05	1.31E-05	0.00024	0.0019	0.0006	1.775	0.024	0.1748	0.0019	0.8846	0.0737	0.0005	1039	11	1032	13	-0.7
06B1-10.1	346	16	0.049	60	4	7.18E-05	4.25E-05	0.00124	0.0118	0.0021	1.988	0.037	0.1858	0.0022	0.7103	0.0776	0.0010	1098	12	1137	27	3.4
06B1-10.2	992	6	0.006	162	1	7.48E-06	1.32E-05	0.00013	0.0017	0.0005	1.796	0.027	0.1770	0.0021	0.8424	0.0736	0.0006	1051	11	1030	17	-2.1
06B1-14.1	167	40	0.248	37	1	3.81E-05	6.60E-05	0.00066	0.0740	0.0032	2.593	0.059	0.2225	0.0035	0.7682	0.0845	0.0012	1295	18	1305	29	0.8
Locality 10																						
Leucosome																						
BM04-01A																						
8709-4.1	1105	3	0.003	175	4	2.77E-05	1.20E-05	0.00048	0.0001	0.0005	1.797	0.060	0.1712	0.0054	0.9822	0.0761	0.0005	1019	30	1098	13	7.2
8709-9.1	1018	9	0.009	151	1	1.00E-05	1.00E-05	0.00017	0.0032	0.0004	1.627	0.025	0.1599	0.0017	0.7841	0.0738	0.0007	956	10	1036	20	7.6
8709-15.1	979	2	0.002	174	2	1.00E-05	1.00E-05	0.00017	0.0008	0.0004	2.060	0.025	0.1916	0.0021	0.9274	0.0780	0.0004	1130	11	1147	9	1.4
8709-19.1	1259	3	0.002	220	3	1.50E-05	8.76E-06	0.00026	0.0005	0.0003	1.998	0.024	0.1886	0.0020	0.9136	0.0768	0.0004	1114	11	1116	10	0.2
8709-26.1	380	134	0.364	94	6	7.88E-05	4.90E-05	0.00137	0.1082	0.0030	2.897	0.059	0.2392	0.0028	0.6641	0.0879	0.0014	1382	14	1379	30	-0.2
8709-26.2	1339	7	0.005	210	6	2.89E-05	1.53E-05	0.0005	0.0007	0.0006	1.711	0.023	0.1701	0.0019	0.881	0.0729	0.0005	1013	10	1012	13	-0.1
8709-35.1	171	69	0.418	40	3	7.57E-05	3.65E-05	0.00131	0.1230	0.0029	2.714	0.053	0.2272	0.0034	0.8287	0.0867	0.0010	1320	18	1353	22	2.4
8709-35.2	1376	9	0.007	218	3	1.49E-05	1.32E-05	0.00026	0.0020	0.0005	1.732	0.021	0.1717	0.0018	0.9093	0.0732	0.0004	1021	10	1019	10	-0.3
Melanosome																						
BM04-01B																						
8710-13.1	640	2	0.003	99	1	1.17E-05	1.95E-05	0.0002	0.0009	0.0007	1.692	0.036	0.1674	0.0031	0.9052	0.0733	0.0007	998	17	1023	19	2.4
8710-13.2	635	2	0.003	95	1	1.00E-05	1.00E-05	0.00017	0.0007	0.0004	1.683	0.039	0.1619	0.0026	0.7715	0.0754	0.0011	967	14	1079	30	10.3
8710-20.1	771	4	0.005	128	2	1.34E-05	1.68E-05	0.00023	0.0015	0.0006	1.857	0.028	0.1791	0.0019	0.7761	0.0752	0.0007	1062	10	1075	20	1.2
8710-20.2	806	3	0.004	133	2	1.85E-05	1.11E-05	0.00032	0.0005	0.0004	1.826	0.029	0.1788	0.0021	0.807	0.0741	0.0007	1060	11	1043	19	-1.7
8710-21.1	282	19	0.069	52	2	3.42E-05	2.52E-05	0.00059	0.0280	0.0012	2.156	0.039	0.1949	0.0027	0.8375	0.0802	0.0008	1148	15	1203	20	4.6
8710-29.1	870	4	0.005	152	3	2.15E-05	2.40E-05	0.00037	0.0007	0.0009	2.033	0.032	0.1886	0.0020	0.7746	0.0782	0.0008	1114	11	1152	20	3.3
8710-35.1	503	22	0.044	94	1	1.37E-05	2.32E-05	0.00024	0.0153	0.0010	2.108	0.064	0.1994	0.0039	0.7385	0.0767	0.0016	1172	21	1113	41	-5.4
8710-47.1	643	1</																				

8710-50.1	213	143	0.694	54	0	4.15E-06	4.52E-05	7.00E-05	0.2082	0.0033	2.715	0.063	0.2280	0.0034	0.7349	0.0864	0.0014	1324	18	1347	31	1.7
8710-63.1	939	2	0.002	163	2	1.22E-05	1.16E-05	0.00021	0.0007	0.0004	1.954	0.025	0.1872	0.0021	0.9044	0.0757	0.0004	1106	11	1087	11	-1.8
8710-63.2	287	120	0.432	69	3	4.78E-05	4.36E-05	0.00083	0.1281	0.0024	2.744	0.049	0.2308	0.0029	0.7792	0.0862	0.0010	1339	15	1343	22	0.3
8710-63.3	957	2	0.002	169	3	2.03E-05	1.23E-05	0.00035	0.0005	0.0005	2.015	0.033	0.1903	0.0021	0.7596	0.0768	0.0008	1123	11	1116	21	-0.6
8710-65.1	565	1	0.002	102	2	2.54E-05	2.72E-05	0.00044	0.0006	0.0010	2.084	0.039	0.1938	0.0025	0.7744	0.0780	0.0009	1142	14	1147	24	0.5
8710-65.2	130	51	0.402	31	3	1.17E-04	6.34E-05	0.00203	0.1138	0.0054	2.767	0.067	0.2341	0.0035	0.7095	0.0857	0.0015	1356	18	1332	34	-1.8
8710-65.3	397	1	0.003	66	4	5.77E-05	2.74E-05	0.001	-0.0005	0.0011	1.894	0.029	0.1803	0.0021	0.833	0.0762	0.0006	1068	11	1101	17	3.0
8710-66.1	342	162	0.490	90	1	1.80E-05	2.08E-05	0.00031	0.1491	0.0054	3.044	0.164	0.2475	0.0088	0.7446	0.0892	0.0032	1425	46	1409	71	-1.2
8710-67.1	240	59	0.253	53	5	1.05E-04	4.06E-05	0.00182	0.0732	0.0029	2.558	0.050	0.2201	0.0031	0.7953	0.0843	0.0010	1282	16	1300	23	1.4
8710-67.2	645	1	0.002	113	5	4.61E-05	3.17E-05	0.0008	0.0019	0.0012	2.061	0.033	0.1888	0.0022	0.8055	0.0792	0.0008	1115	12	1177	19	5.3
8710-67.3	1129	10	0.009	181	3	1.65E-05	1.73E-05	0.00029	0.0021	0.0007	1.727	0.025	0.1731	0.0019	0.8305	0.0724	0.0006	1029	11	996	17	-3.4
Locality 11																						
Leucosome																						
BM-04-02A																						
8711-24.1	599	19	0.032	97	0	3.37E-06	2.77E-05	0.00006	0.0098	0.0014	1.804	0.025	0.1741	0.0019	0.8352	0.0752	0.0006	1034	10	1074	16	3.6
8711-35.1	581	255	0.453	140	4	3.48E-05	1.54E-05	0.0006	0.1334	0.0022	2.731	0.037	0.2297	0.0025	0.8835	0.0862	0.0006	1333	13	1343	12	0.7
8711-35.2	657	15	0.024	106	11	1.12E-04	2.62E-05	0.00195	0.0065	0.0011	1.776	0.027	0.1735	0.0020	0.8274	0.0743	0.0007	1031	11	1048	18	1.6
8711-37.1	562	404	0.742	155	6	5.39E-05	1.57E-05	0.00093	0.1912	0.0047	3.646	0.109	0.2468	0.0052	0.7814	0.1071	0.0020	1422	27	1751	35	18.8
8711-37.2	112	44	0.404	26	2	9.67E-05	7.85E-05	0.00168	0.1256	0.0073	2.629	0.061	0.2233	0.0028	0.6469	0.0854	0.0015	1299	15	1324	35	1.9
8711-37.3	1958	15	0.008	257	62	2.58E-04	4.52E-05	0.00447	0.0038	0.0018	1.412	0.024	0.1420	0.0018	0.7962	0.0721	0.0008	856	10	990	22	13.5
8711-62.1	135	124	0.950	36	1	5.42E-05	8.83E-05	0.00094	0.2820	0.0096	2.660	0.063	0.2291	0.0028	0.6097	0.0842	0.0016	1330	14	1297	37	-2.5
8711-62.2	915	6	0.007	145	65	4.80E-04	5.78E-05	0.00832	0.0015	0.0022	1.736	0.035	0.1710	0.0019	0.6414	0.0736	0.0012	1018	10	1032	32	1.4
Melanosome																						
BM04-02B																						
02B-13.1	506	240	0.490	86	3	4.82E-05	3.60E-05	0.00083	0.1410	0.0036	1.923	0.151	0.1605	0.0121	0.9837	0.0869	0.0012	960	68	1358	28	29.3
02B-13.2	219	6	0.029	30	2	5.92E-05	5.83E-05	0.00103	0.0059	0.0024	1.475	0.085	0.1456	0.0077	0.9568	0.0735	0.0012	876	43	1027	34	14.7
02B-21.1	504	6	0.013	82	0	1.93E-06	2.00E-05	3.00E-05	0.0045	0.0010	1.803	0.028	0.1761	0.0020	0.8111	0.0742	0.0007	1046	11	1048	19	0.2
02B-21.2	1427	12	0.009	238	2	1.00E-05	1.00E-05	0.00017	0.0025	0.0004	1.829	0.028	0.1804	0.0021	0.8079	0.0735	0.0007	1069	11	1028	19	-4.1
02B-25.1	382	54	0.147	76	4	5.90E-05	3.58E-05	0.00102	0.0461	0.0018	2.268	0.040	0.2043	0.0024	0.7485	0.0805	0.0010	1198	13	1210	24	1.0
02B-25.2	716	15	0.022	117	2	1.47E-05	1.80E-05	0.00026	0.0066	0.0007	1.789	0.025	0.1755	0.0020	0.8667	0.0739	0.0005	1042	11	1039	14	-0.3
8716-77.3	297	8	0.027	47	3	5.87E-05	3.82E-05	0.00102	0.0083	0.0016	1.736	0.031	0.1713	0.0021	0.7766	0.0735	0.0008	1019	12	1028	23	0.9
8716-91.1	106	55	0.539	24	0	1.00E-05	1.00E-05	0.00017	0.1543	0.0041	2.519	0.069	0.2138	0.0039	0.7495	0.0855	0.0016	1249	21	1326	36	5.8

Notes (see Stern, 1997):

Uncertainties reported at 1s (absolute) and are calculated by numerical propagation of all known sources of error

f206²⁰⁴ refers to mole fraction of total 206Pb that is due to common Pb, calculated using the 204Pb-method; common Pb composition used is the surface blank

* refers to radiogenic Pb (corrected for common Pb)

Discordance relative to origin = 100 * (1-(206Pb/238U age)/(207Pb/206Pb age))