Choudhurimayum Pankaj Sharma, Poonam Chahal, Anil Kumar, Saurabh Singhal, YP Sundriyal, Alan D. Ziegler, Rajesh Agnihotri, Robert J Wasson, Uma Kant Shukla, and Pradeep Srivastava, 2021, Late Pleistocene–Holocene flood history, flood-sediment provenance and human imprints from the upper Indus River catchment, Ladakh Himalaya: GSA Bulletin, <https://doi.org/10.1130/B35976.1>.

Supplemental Material

Figure S1. (A) Infrared Stimulated Luminescence (IRSL) of LD-1818 exhibiting feldspar contamination. (B) IRSL counts of all samples after complete etching including LD-1818 after re-etching. (C) Optical Stimulated Luminescence (OSL) decay curves of all samples.

Figure S2. (A) Pre heat test (dotted line represents 220 °C plateau) and (B) Dose recovery test of LD-3170.

Figure S3. OSL characteristics of LD-2011. (A) Probably distribution of ED all discs and (B) Sensitivity corrected luminescence growth curve.

Figure S4. Radial plot of all OSL samples with ages.

Table S1. Elemental, isotopic and age details of detrital zircon U-Pb geochronology of paleoflood deposits.

Fig. S1: A. Infrared Stimulated Luminescence (IRSL) of LD-1818 exhibiting feldspar contamination. B. IRSL counts of all samples after complete etching including LD-1818 after re-etching. C. Optical Stimulated Luminescence (OSL) decay curves of all samples.

Fig. S2: A. Pre heat test (dotted line represents 220°C plateau) and B. Dose recovery test of LD-3170

Fig. S3: OSL characteristics of LD-2011. A. Probable distribution of ED all discs and B. Sensitivity corrected luminescence growth curve.

Fig. S4: Radial plot of all OSL samples with ages

TABLE. S1: ELEMENTAL, ISOTOPIC AND AGE DETAILS OF DETRITAL ZIRCON U-PB GEOCHRONOLOGY OF PALEOFLOOD DEPOSITS.

Sample No. HY-2 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
HY_15	0.01493	0.00039	0.001979	0.000039	0.04807	0.00044	15.05	0.39	12.74	0.25	102	21	1837	2070	15.2	12.74
HY_21	0.01634	0.00034	0.002171	0.000061	0.05195	0.00095	16.45	0.34	13.98	0.39	285	42	1154	656	5.32	13.98
HY_19	0.0386	0.0029	0.00488	0.00012	0.0545	0.0032	38.5	2.8	31.37	0.75	350	120	2890	3800	68	31.37
HY_16	0.04208	0.00052	0.005856	0.000042	0.04892	0.00047	41.86	0.51	37.64	0.27	143	22	3070	2670	45.7	37.64
HY_13	0.0465	0.001	0.00626	0.00012	0.04859	0.00028	46.1	1	40.22	0.76	127	14	2950	1480	27	40.22
HY_4	0.05238	0.00084	0.006923	0.000074	0.04704	0.0002	51.84	0.81	44.56	0.5	50.9	9.9	2020	332	7.02	44.56
HY_14	0.0624	0.0012	0.00803	0.00015	0.04929	0.00088	61.5	1.2	51.58	0.97	158	40	348	442	12.2	51.58
HY_17	0.062	0.0018	0.00864	0.00025	0.04737	0.00016	61	1.7	55.5	1.6	67.7	8.2	1100	940	29.4	55.5
HY_20	0.1276	0.0036	0.01659	0.00015	0.054	0.0021	121.9	3.2	106.08	0.94	365	86	306	165	11.5	106.08
HY_18	0.526	0.013	0.0551	0.0011	0.064	0.001	428.4	8.8	345.7	6.9	738	32	614	81	14.2	345.7
HY_10	0.655	0.011	0.0693	0.0012	0.05662	0.0002	511.2	7	431.8	7.4	476.8	8	264	50.7	11.3	431.8
HY_5	0.689	0.02	0.0722	0.0021	0.05814	0.00039	531	12	450	12	534	15	303	50.1	10.5	450
HY_12	1.47	0.032	0.139	0.0033	0.06859	0.00021	917	14	838	19	886.2	6.4	605	850	274	838
HY_6	4.09	0.11	0.2556	0.0052	0.0998	0.001	1657	23	1467	27	1619	19	72.5	50.7	31.6	1619
HY_2	0.0721	0.0019	0.009229	0.000091	0.05	0.0013	70.7	1.8	59.22	0.58	191	59	83.3	53.1	1.409	59.22
HY_7	0.328	0.016	0.0356	0.0014	0.0576	0.0011	287	12	225.3	8.7	510	38	303	197	24.3	225.3

HY_11	0.1901	0.0064	0.02133	0.00072	0.054	0.00016	176.6	5.5	136.1	4.6	371.1	6.6	1492	64.3	9.1	136.1
-------	--------	--------	---------	---------	-------	---------	-------	-----	-------	-----	-------	-----	------	------	-----	-------

Sample No. RB-16-1 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
RB1_81	0.0194	0.0013	0.00277	0.00012	0.0494	0.0017	19.5	1.3	17.85	0.76	165	78	1390	470	5.5	17.85
RB1_48	0.02228	0.0006	0.003249	0.000077	0.04869	0.00047	22.37	0.59	20.91	0.49	131	22	1238	5170	55.2	20.91
RB1_47	0.02245	0.00085	0.003298	0.000088	0.04856	0.00082	22.54	0.85	21.22	0.56	124	37	993	3630	40.5	21.22
RB1_44	0.0277	0.0027	0.003495	0.000057	0.057	0.0045	27.7	2.7	22.49	0.37	410	140	328	532	6.12	22.49
RB1_80	0.0239	0.0012	0.003616	0.000099	0.0483	0.0016	24	1.2	23.27	0.64	116	76	930	432	4.29	23.27
RB1_84	0.03149	0.00089	0.004771	0.000085	0.04798	0.00084	31.47	0.88	30.68	0.55	82	28	1300	463	7.3	30.68
RB1_83	0.03341	0.00099	0.0049	0.0001	0.0492	0.0013	33.36	0.98	31.5	0.66	131	42	1450	525	8.36	31.5
RB1_33	0.041	0.0022	0.00631	0.00038	0.04692	0.0003	40.7	2.1	40.5	2.4	46	14	840	500	9.95	40.5
RB1_85	0.0441	0.0013	0.006527	0.000064	0.0495	0.0011	43.8	1.3	41.94	0.41	170	53	265	558	10.29	41.94
RB1_69	0.045	0.002	0.00681	0.00011	0.0481	0.0018	44.7	1.9	43.73	0.69	63	17	887	263	5.7	43.73
RB1_7	0.04788	0.00071	0.007245	0.000056	0.04818	0.0005	47.48	0.69	46.53	0.36	108	24	300	329.1	7.42	46.53
RB1_8	0.04883	0.00091	0.007399	0.000052	0.04839	0.00065	48.4	0.88	47.52	0.34	117	31	262	216	5.5	47.52
RB1_102	0.04943	0.00072	0.007425	0.000068	0.04801	0.00057	48.99	0.7	47.68	0.43	98	27	1335	393	7.59	47.68

RB1_9	0.05081	0.00079	0.007434	0.000054	0.04982	0.00068	50.32	0.76	47.75	0.34	184	31	273	226	5.4	47.75
RB1_101	0.0504	0.00091	0.007689	0.000086	0.04717	0.00034	49.92	0.88	49.38	0.55	58	17	1170	318	6.6	49.38
RB1_28	0.0578	0.0012	0.00784	0.00025	0.0515	0.0015	57.1	1.1	50.4	1.6	253	63	142.4	103	2.98	50.4
RB1_19	0.059	0.0074	0.00787	0.00034	0.0531	0.0047	58.1	6.9	50.5	2.2	280	160	597	75	2.98	50.5
RB1_92	0.0661	0.0035	0.008171	0.000079	0.0576	0.0028	64.9	3.4	52.46	0.51	476	98	111.1	155.1	3.75	52.46
RB1_2	0.0532	0.00097	0.008239	0.000091	0.04748	0.00042	52.62	0.93	52.9	0.58	73	20	565	267	7.53	52.9
RB1_94	0.05513	0.00084	0.008255	0.000075	0.04793	0.00052	54.49	0.81	53	0.48	92	25	267	97.1	2.264	53
RB1_91	0.0584	0.0023	0.008272	0.000096	0.0509	0.0018	57.6	2.2	53.1	0.61	206	63	80.4	99.8	2.44	53.1
RB1_6	0.0553	0.0011	0.00845	0.00015	0.04781	0.00038	54.6	1	54.23	0.95	89	19	323	76.2	2.189	54.23
RB1_67	0.0575	0.0011	0.008496	0.000083	0.04877	0.00071	56.8	1	54.54	0.53	134	34	153.7	106.7	2.87	54.54
RB1_12	0.0559	0.0016	0.00854	0.00018	0.0489	0.001	55.2	1.5	54.8	1.2	142	47	588	41.4	1.336	54.8
RB1_36	0.0608	0.002	0.00865	0.00014	0.0504	0.0015	59.9	1.9	55.51	0.9	206	67	79.3	77.6	2.27	55.51
RB1_66	0.0619	0.0042	0.00873	0.00013	0.0509	0.0026	60.9	3.9	56.01	0.83	176	58	126	136	3.72	56.01
RB1_1	0.0549	0.0024	0.00876	0.00027	0.04728	0.00061	54.3	2.3	56.2	1.7	65	28	610	58.5	1.89	56.2
RB1_30	0.0586	0.0017	0.00894	0.00014	0.04728	0.00089	57.8	1.6	57.35	0.89	67	40	135	38.8	1.2	57.35
RB1_3	0.0595	0.0014	0.00897	0.00012	0.0483	0.001	58.7	1.4	57.54	0.77	112	46	98.5	91	2.62	57.54
RB1_96	0.0603	0.0014	0.00897	0.00012	0.0484	0.00074	59.5	1.3	57.57	0.79	118	34	205	225	5.54	57.57
RB1_90	0.0617	0.0022	0.00903	0.00013	0.0491	0.0012	60.8	2.1	57.95	0.8	144	50	358	149	3.95	57.95
RB1_95	0.0628	0.002	0.00906	0.00014	0.0501	0.0015	61.8	1.9	58.13	0.92	178	58	97	84	2.11	58.13
RB1_93	0.0681	0.0075	0.00918	0.00025	0.0523	0.0039	64.2	4.8	58.9	1.6	171	51	148	68.5	1.78	58.9

RB1_35	0.0619	0.0023	0.00927	0.0001	0.0477	0.0018	61	2.2	59.49	0.66	88	81	105	106	3.18	59.49
RB1_60	0.0648	0.0053	0.00931	0.00023	0.0509	0.0037	63.7	5.1	59.7	1.5	230	160	101.3	77.8	2.52	59.7
RB1_73	0.0726	0.0033	0.009345	0.000053	0.0555	0.0026	71.1	3.2	59.96	0.34	410	100	67.2	47.7	1.465	59.96
RB1_27	0.0692	0.0022	0.00937	0.00024	0.0532	0.0017	67.9	2	60.1	1.5	329	72	114	106	3.41	60.1
RB1_32	0.065	0.0012	0.009444	0.000072	0.05029	0.00069	63.9	1.1	60.6	0.46	205	32	212	212	6.7	60.6
RB1_71	0.0641	0.0025	0.00944	0.00017	0.0482	0.0019	63.1	2.4	60.6	1.1	114	82	60.8	69.6	2.05	60.6
RB1_72	0.0717	0.0072	0.00945	0.00016	0.0556	0.005	70.2	6.8	60.62	0.99	400	180	104	106	3.13	60.62
RB1_89	0.0645	0.0016	0.00947	0.00013	0.04869	0.00077	63.5	1.5	60.74	0.83	131	36	287	130	3.7	60.74
RB1_31	0.0623	0.0011	0.009494	0.000098	0.0484	0.00085	61.3	1.1	60.91	0.63	119	38	218	209	6.7	60.91
RB1_46	0.0638	0.002	0.0095	0.00015	0.0486	0.0012	62.7	1.9	60.97	0.95	121	48	323	121	3.48	60.97
RB1_4	0.0652	0.0022	0.009548	0.000055	0.0499	0.0017	64.1	2.1	61.26	0.35	183	72	49.6	24.3	0.831	61.26
RB1_87	0.0646	0.0017	0.00955	0.00017	0.04869	0.00081	63.6	1.6	61.3	1.1	131	37	216	109	3.08	61.3
RB1_70	0.0694	0.0045	0.00962	0.00014	0.0526	0.0029	68	4.2	61.7	0.92	280	110	71	52.9	1.79	61.7
RB1_53	0.0654	0.0019	0.0097	0.00027	0.04778	0.00035	64.3	1.8	62.2	1.8	88	17	717	527	16.89	62.2
RB1_34	0.0787	0.0064	0.00971	0.00018	0.0598	0.0042	76.8	6	62.3	1.1	550	140	96	43.3	1.63	62.3
RB1_13	0.0681	0.0036	0.00972	0.00038	0.04912	0.00083	66.8	3.4	62.4	2.4	150	38	281	122	3.49	62.4
RB1_45	0.0657	0.0014	0.00987	0.00016	0.04777	0.00042	64.6	1.3	63.3	1	87	20	292	129.3	3.81	63.3
RB1_98	0.0709	0.0057	0.00989	0.00016	0.0517	0.0037	69.4	5.2	63.5	1	220	110	235	204	5.77	63.5
RB1_97	0.0741	0.0053	0.00997	0.00026	0.0524	0.0026	72.4	4.9	64	1.7	245	76	176	168	4.83	64
RB1_20	0.0667	0.0039	0.01003	0.00054	0.04888	0.00092	65.5	3.7	64.4	3.5	137	38	382	80.2	2.97	64.4

RB1_29	0.0762	0.0054	0.01015	0.00023	0.0537	0.0028	76	5.6	65.1	1.5	340	120	414	480	17.6	65.1
RB1_54	0.0818	0.004	0.01176	0.0002	0.0506	0.0016	79.7	3.8	75.4	1.2	190	56	531	376	13.52	75.4
RB1_14	0.0808	0.0016	0.01213	0.00012	0.04838	0.0006	78.9	1.5	77.75	0.79	117	28	164	58.7	2.41	77.75
RB1_38	0.08219	0.0009	0.01245	0.000084	0.04814	0.00054	80.2	0.85	79.76	0.53	97	21	307	103	5.31	79.76
RB1_16	0.0853	0.0015	0.01277	0.00013	0.04935	0.00083	83.1	1.4	81.77	0.81	143	30	208	121.8	4.97	81.77
RB1_37	0.0857	0.0012	0.01277	0.00012	0.04879	0.00068	83.5	1.1	81.77	0.73	135	31	276	94	5.08	81.77
RB1_15	0.0861	0.002	0.01281	0.00016	0.04886	0.0008	83.8	1.9	82	1	129	31	145	59.5	2.4	82
RB1_43	0.0884	0.0017	0.01319	0.0002	0.04813	0.00054	86	1.6	84.5	1.3	106	26	210	153	6.45	84.5
RB1_63	0.0899	0.0021	0.01324	0.00022	0.04842	0.00059	87.4	1.9	84.8	1.4	109	22	197.4	219	8.98	84.8
RB1_64	0.0905	0.0024	0.01335	0.00017	0.04839	0.00069	87.9	2.3	85.5	1.1	116	32	168.9	167	6.84	85.5
RB1_41	0.0936	0.0023	0.01346	0.00012	0.05035	0.00099	90.8	2.2	86.22	0.74	207	44	87.6	101.4	4.27	86.22
RB1_77	0.1127	0.006	0.0137	0.000091	0.0591	0.0029	108.2	5.4	87.71	0.58	530	100	229	197	9.65	87.71
RB1_42	0.0943	0.0042	0.01397	0.00011	0.0505	0.0012	91.4	3.9	89.43	0.67	211	55	127	96.4	4.54	89.43
RB1_76	0.0936	0.0012	0.014018	0.000071	0.04841	0.00041	90.8	1.1	89.74	0.45	118	20	304	329	14.2	89.74
RB1_79	0.1224	0.005	0.01642	0.00018	0.0529	0.0018	117.1	4.5	105	1.2	309	66	104.1	1.25	0.23	105
RB1_62	0.1204	0.004	0.01664	0.00018	0.0527	0.0017	115.4	3.6	106.4	1.2	315	74	42.7	15.8	0.92	106.4
RB1_61	0.1191	0.0029	0.01718	0.00014	0.0492	0.001	114.2	2.6	109.79	0.9	155	45	330	213	11.26	109.79
RB1_78	0.1299	0.0057	0.01786	0.00044	0.0518	0.0016	123.8	5.1	114.1	2.8	242	53	148.8	3.7	0.375	114.1
RB1_88	0.1697	0.0057	0.02462	0.00062	0.05018	0.00049	159.1	4.9	156.8	3.9	211	27	178	176	12.1	156.8
RB1_100	0.424	0.011	0.0526	0.0015	0.05678	0.00038	360.6	7.2	330.2	9.1	483	15	398	513	77	330.2

RB1_18	0.528	0.013	0.0644	0.0018	0.0586	0.0013	430	8.7	402	11	531	34	303	34.4	8.45	402
RB1_17	0.53	0.016	0.0662	0.0022	0.05696	0.00035	431	11	413	13	489	13	325	33.4	7.72	413
RB1_99	0.536	0.015	0.0674	0.0017	0.05671	0.00028	435.3	9.7	420	10	480	11	199	101.3	18.5	420
RB1_25	0.585	0.029	0.0714	0.0033	0.05776	0.00027	466	18	444	20	520	10	463	21	5.02	444
RB1_24	0.579	0.031	0.0715	0.0037	0.05771	0.00027	462	20	445	22	518	10	446	21.7	5.28	445
RB1_26	0.581	0.022	0.0717	0.0026	0.05765	0.00018	466	14	446	16	516.3	6.9	448	18.2	4.11	446
RB1_21	0.586	0.026	0.0723	0.0032	0.05776	0.00016	467	17	450	19	520.4	6	463	21	5	450
RB1_75	0.5948	0.0094	0.0732	0.0013	0.05899	0.00066	473.7	6	455.1	7.7	564	24	193	59.7	12.6	455.1
RB1_22	0.598	0.029	0.0735	0.0035	0.05796	0.00024	474	18	457	21	525.4	7.9	449	20.7	4.93	457
RB1_11	0.5724	0.0088	0.0738	0.001	0.0566	0.00017	459.4	5.6	459.2	6.2	476.8	6.5	247	30.2	6.66	459.2
RB1_23	0.607	0.037	0.0742	0.0041	0.05814	0.0005	478	23	461	24	534	18	473	21.6	5.87	461
RB1_59	0.597	0.014	0.0741	0.0018	0.05698	0.00029	475.1	9.1	461	11	490	11	213	45.1	10.29	461
RB1_40	0.592	0.021	0.0747	0.0027	0.05735	0.00025	471	13	464	16	504.8	9.5	373	158	45.2	464
RB1_39	0.592	0.021	0.0755	0.0028	0.0573	0.00032	473	14	469	17	503	12	355	141.3	41.7	469
RB1_74	0.5973	0.0077	0.0757	0.001	0.05695	0.00023	475.4	4.9	470.4	6.3	489.4	9	352	28.5	6.95	470.4
RB1_10	0.604	0.015	0.076	0.0013	0.05732	0.00032	479.1	9.5	472	7.8	503	12	238	27.1	6.8	472
RB1_57	0.626	0.018	0.0774	0.0021	0.05706	0.00025	493	12	481	13	493.4	9.5	417	40.5	11.7	481
RB1_58	0.6252	0.0088	0.07893	0.0009	0.05661	0.00018	492.9	5.4	489.7	5.4	476.1	7	276	46.4	10.61	489.7
RB1_51	0.655	0.0098	0.0798	0.0014	0.05774	0.00021	511.4	6	495	8.3	519.7	7.8	367	214.5	53	495
RB1_68	0.652	0.012	0.0831	0.0014	0.05684	0.0002	510.6	7.2	514.3	8.2	484.9	7.8	199	47.4	11.84	514.3

RB1_56	0.675	0.012	0.0854	0.0014	0.05673	0.00019	523.7	7.2	528.2	8.3	480.8	7.3	311	76.5	19	528.2
RB1_49	0.682	0.013	0.0857	0.0017	0.05725	0.00037	527.6	7.6	530	10	497	12	292	174	42	530
RB1_50	0.691	0.016	0.0874	0.0022	0.05726	0.00034	533.2	9.5	540	13	501	13	258	142	34.8	540
RB1_55	0.7058	0.0091	0.0893	0.0011	0.057	0.0002	542.1	5.5	551.1	6.6	491.4	7.8	391	71.3	15.3	551.1
RB1_65	0.704	0.016	0.0895	0.002	0.0567	0.0002	540.5	9.8	552	12	479.6	7.6	251	46.5	11.48	552
RB1_52	0.81	0.025	0.1003	0.0029	0.05814	0.00043	601	14	616	17	529	12	117	46.8	13	616
RB1_82	3.13	0.1	0.2394	0.0086	0.0916	0.00022	1440	25	1395	41	1459.1	4.6	199	120.4	86.2	1459.1

Sample No. RB-16-2 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
RB2_28	0.0472	0.0016	0.00688	0.00021	0.0484	0.0006	46.8	1.5	44.2	1.3	118	28	183	162	3.81	44.2
RB2_63	0.0495	0.0012	0.007409	0.000054	0.0478	0.001	49	1.2	47.58	0.34	92	45	179.5	211	4.75	47.58
RB2_61	0.676	0.015	0.0849	0.0018	0.05731	0.00027	523.8	9.1	525	11	503	10	490	50.1	11	525
RB2_30	0.659	0.04	0.0793	0.0037	0.05817	0.00062	511	23	491	22	534	22	429	67	16	491
RB2_39	0.0617	0.0019	0.00859	0.00014	0.0516	0.0013	60.7	1.8	55.11	0.88	258	56	133	91	2.49	55.11
RB2_11	0.0536	0.0017	0.00803	0.0001	0.0486	0.0013	53	1.7	51.58	0.66	124	55	137.2	152.6	3.56	51.58
RB2_74	0.0517	0.001	0.007682	0.000074	0.04826	0.00085	51.18	0.99	49.33	0.48	114	39	179.3	227	5.12	49.33

RB2_1	0.0541	0.0029	0.007789	0.000079	0.05	0.0023	53.5	2.7	50.02	0.51	143	56	324	305	7.23	50.02
RB2_20	0.05291	0.00095	0.00778	0.000072	0.04903	0.0008	52.35	0.91	49.96	0.46	145	37	344	311	7.47	49.96
RB2_21	0.1017	0.0018	0.01431	0.00017	0.05101	0.00067	98.4	1.7	91.6	1.1	238	30	352	328	14.3	91.6
RB2_84	0.0455	0.00085	0.00673	0.00012	0.04786	0.00064	45.17	0.82	43.25	0.8	93	29	433	840	17.5	43.25
RB2_2	0.0561	0.0019	0.00793	0.0001	0.0508	0.0018	55.5	1.8	50.89	0.65	224	75	161.4	140	3.61	50.89
RB2_83	0.0569	0.0011	0.008477	0.000074	0.04897	0.00089	56.2	1	54.42	0.47	143	41	190	201	5.7	54.42
RB2_18	0.0508	0.0023	0.007303	0.000068	0.0499	0.0022	50.3	2.2	46.9	0.44	180	95	366	506	9.9	46.9
RB2_14	0.061	0.0042	0.00796	0.00028	0.0548	0.0031	60	4	51.1	1.8	370	110	229	138	3.99	51.1
RB2_7	0.0688	0.0017	0.01065	0.00026	0.04782	0.0003	67.6	1.7	68.3	1.7	87	15	930	631	18.6	68.3
RB2_76	0.0665	0.0029	0.01041	0.00025	0.04904	0.00092	65.4	2.8	66.7	1.6	144	40	541	503	13.8	66.7
RB2_37	0.0507	0.0027	0.00755	0.00042	0.04875	0.00046	50.2	2.6	48.5	2.7	135	22	2620	199	5.7	48.5
RB2_66	0.1222	0.0061	0.0151	0.001	0.0586	0.0024	117	5.6	96.6	6.6	536	83	209	196	6.48	96.6
RB2_78	0.04731	0.00092	0.007211	0.00009	0.04821	0.00051	46.93	0.89	46.31	0.58	108	24	694	664	15.3	46.31
RB2_36	0.0479	0.0012	0.00693	0.00015	0.04976	0.00087	47.5	1.2	44.55	0.96	182	39	2510	1330	30	44.55
RB2_9	0.0566	0.0011	0.00782	0.00023	0.0517	0.0013	55.9	1.1	50.2	1.5	263	55	136.3	83.9	2.375	50.2
RB2_40	0.922	0.059	0.0943	0.0046	0.0705	0.0014	662	33	581	27	941	43	589	57	12.2	581
RB2_6	15.63	0.72	0.622	0.032	0.1821	0.0026	2850	43	3110	130	2671	24	108	73	47.3	2671
RB2_8	0.0571	0.0018	0.00841	0.00013	0.0497	0.0011	56.3	1.7	53.97	0.82	165	42	209	185	5.22	53.97
RB2_44	0.0589	0.0029	0.00857	0.00039	0.0496	0.0014	58.1	2.7	55	2.5	163	56	459	315	8.9	55
RB2_41	0.056	0.0016	0.00846	0.00025	0.04842	0.00069	55.3	1.6	54.3	1.6	117	32	489	413	11.4	54.3

RB2_35	0.026	0.0018	0.00379	0.0002	0.04791	0.00077	26.1	1.8	24.4	1.3	94	38	960	12.9	0.328	24.4
RB2_50	1.68	0.034	0.1717	0.0034	0.071	0.00023	1003	12	1024	18	957.3	6.5	313	122.2	54	957.3
RB2_70	0.0327	0.0062	0.00448	0.00055	0.0523	0.004	32.6	6	28.8	3.5	290	170	890	12.5	0.78	28.8
RB2_58	1.558	0.04	0.1614	0.0034	0.07041	0.00037	953	16	964	19	940	11	249.9	96.5	41.5	964
RB2_27	0.06267	0.00071	0.009173	0.000095	0.05009	0.00074	61.72	0.68	58.86	0.6	196	34	479	361	10.33	58.86
RB2_60	0.0675	0.0039	0.0091	0.00017	0.0547	0.0019	66.3	3.7	58.4	1.1	389	75	209	129	4.04	58.4
RB2_12	0.059	0.0025	0.008319	0.000074	0.0526	0.002	58.2	2.4	53.41	0.47	290	77	145	97	3.04	53.41
RB2_22	0.0555	0.0014	0.008391	0.000092	0.04857	0.00069	54.8	1.4	53.87	0.59	124	32	473	459	12.68	53.87
RB2_73	0.0524	0.001	0.007925	0.000039	0.04908	0.00085	51.88	0.98	50.88	0.25	149	39	207	207	5.29	50.88
RB2_13	0.0518	0.0017	0.00742	0.00016	0.0512	0.0014	51.3	1.6	47.7	1	240	59	162.1	138	3.68	47.7
RB2_25	0.0612	0.0045	0.00811	0.00015	0.0551	0.0036	60.3	4.2	52.08	0.93	340	110	148	144	3.78	52.08
RB2_81	0.0364	0.0012	0.00563	0.00011	0.0484	0.0011	36.3	1.2	36.21	0.71	120	50	335	127	2.4	36.21
RB2_75	0.0533	0.0017	0.008	0.00012	0.0495	0.0014	52.8	1.6	51.34	0.74	162	60	94.4	81.1	2.18	51.34
RB2_79	0.0545	0.0021	0.00779	0.00011	0.0516	0.0018	53.9	2.1	50.05	0.7	251	71	151.8	131.5	3.28	50.05
RB2_69	0.0951	0.0098	0.01369	0.00017	0.0509	0.004	91.8	8.3	87.7	1.1	141	33	247	238	10.83	87.7
RB2_80	0.0908	0.002	0.013454	0.000084	0.0499	0.0011	88.2	1.9	86.15	0.54	182	47	182.3	131.4	5.54	86.15
RB2_59	0.0542	0.0012	0.008036	0.000091	0.04948	0.00088	53.6	1.1	51.6	0.58	167	40	155	145	4.01	51.6
RB2_45	0.0586	0.0032	0.0085	0.00029	0.0504	0.0016	57.8	3	54.5	1.8	199	62	194	84	3.04	54.5
RB2_82	0.0692	0.0025	0.00957	0.00028	0.0538	0.0015	67.9	2.4	61.4	1.8	336	56	195	88	3.18	61.4
RB2_26	0.0663	0.0021	0.009021	0.000071	0.0527	0.0015	65.2	2	57.89	0.46	308	62	427	490	14.6	57.89

RB2_34	0.0687	0.0062	0.00947	0.00031	0.0546	0.0032	67.3	5.8	60.8	2	350	110	308	300	9.5	60.8
RB2_65	0.0555	0.0018	0.0083	0.00018	0.0489	0.0011	54.8	1.8	53.3	1.2	141	47	192	106	3.02	53.3
RB2_71	0.0614	0.0029	0.00882	0.00025	0.0502	0.0019	60.5	2.8	56.6	1.6	144	44	370	183	5.16	56.6
RB2_15	0.0763	0.0029	0.01092	0.00017	0.0507	0.0017	74.7	2.7	70	1.1	213	70	87.6	139	5.28	70
RB2_38	0.074	0.0017	0.01067	0.00013	0.0504	0.0011	72.5	1.6	68.39	0.83	204	47	97.9	161	5.82	68.39
RB2_51	0.0698	0.0053	0.009377	0.000089	0.0544	0.004	67.1	4.5	60.17	0.57	310	130	33.8	23.3	0.95	60.17
RB2_5	0.0772	0.007	0.0094	0.00013	0.0597	0.0051	75.3	6.6	60.3	0.82	520	170	35.5	27.4	0.977	60.3
RB2_32	0.0827	0.0028	0.01233	0.0002	0.0494	0.0012	80.7	2.6	79	1.3	161	53	123	54.2	2.5	79
RB2_72	0.111	0.011	0.01276	0.00012	0.0614	0.0051	106.2	9.5	81.76	0.78	600	140	59.5	39.2	1.89	81.76
RB2_77	0.0559	0.0017	0.00837	0.00015	0.0488	0.0011	55.2	1.6	53.71	0.98	138	50	125	100	3.14	53.71
RB2_88	0.0581	0.0017	0.00819	0.0001	0.0512	0.0012	57.3	1.7	52.58	0.64	251	53	115	96	2.67	52.58
RB2_48	0.056	0.0017	0.008065	0.000094	0.0505	0.0017	55.3	1.7	51.78	0.6	185	56	161	106.5	3.02	51.78
RB2_17	0.761	0.019	0.0925	0.0021	0.05821	0.00028	575	11	570	12	538	11	651	27.7	6.33	570
RB2_33	0.715	0.02	0.0868	0.0025	0.0582	0.00018	547	11	536	15	537.1	6.7	1030	31.6	7.57	536
RB2_68	0.0592	0.0028	0.00827	0.00022	0.0514	0.0021	58.4	2.6	53.1	1.4	238	84	274	372	9.1	53.1
RB2_54	0.0519	0.0015	0.00732	0.00016	0.0502	0.0015	51.4	1.5	47	1	191	61	251	304	7.7	47
RB2_49	0.0576	0.0018	0.00845	0.00013	0.049	0.001	56.9	1.7	54.23	0.85	126	32	215	132	3.57	54.23
RB2_16	0.0556	0.0012	0.00832	0.00013	0.04807	0.00076	55	1.1	53.43	0.82	102	35	210	138	3.75	53.43
RB2_46	0.0602	0.0028	0.008315	0.000063	0.0512	0.0023	59.3	2.7	53.38	0.4	241	98	46.9	37.1	1.068	53.38
RB2_87	0.0635	0.0046	0.008183	0.00006	0.0548	0.0038	62.4	4.4	52.54	0.38	370	150	39.2	30.8	0.89	52.54

RB2_53	0.0567	0.0062	0.00732	0.00035	0.0536	0.0051	55.9	5.9	47	2.3	300	170	54.7	107	2.69	47
RB2_52	0.0455	0.002	0.00636	0.00016	0.0503	0.002	45.2	1.9	40.9	1	202	89	128	277	6.01	40.9
RB2_55	0.0575	0.0018	0.00799	0.00024	0.05	0.0011	56.8	1.7	51.3	1.6	185	48	199	361	10.2	51.3
RB2_56	0.0518	0.001	0.00775	0.0001	0.04757	0.00067	51.2	1	49.79	0.64	79	31	259	250	6.36	49.79
RB2_47	0.0651	0.0035	0.0089	0.00023	0.0536	0.0021	64	3.3	57.1	1.5	342	87	147	110	3.37	57.1
RB2_43	0.052	0.0018	0.00761	0.00022	0.0487	0.0011	51.5	1.8	48.9	1.4	130	52	119	86	2.08	48.9
RB2_86	0.0576	0.0027	0.00815	0.00031	0.0495	0.0013	56.8	2.6	52.3	2	166	57	109	51	1.51	52.3
RB2_85	0.0607	0.0061	0.00806	0.00026	0.0507	0.0023	57.1	2.6	51.7	1.7	203	80	164	74	2.78	51.7
RB2_42	0.0574	0.002	0.00839	0.0003	0.051	0.001	56.7	2	53.9	1.9	241	47	238	48.6	1.55	53.9
RB2_67	0.0586	0.002	0.00844	0.00015	0.0496	0.0012	57.8	1.9	54.19	0.97	170	52	268	173	4.49	54.19
RB2_10	0.0499	0.0013	0.0071	0.00017	0.04869	0.00065	49.4	1.2	45.6	1.1	131	30	298	302	7.7	45.6
RB2_57	0.0484	0.0017	0.00695	0.00015	0.0487	0.0017	48	1.6	44.67	0.97	93	37	316	456	10.9	44.67
RB2_19	0.0936	0.0034	0.01393	0.00041	0.04831	0.00051	90.8	3.2	89.2	2.6	114	24	450	314	13	89.2
RB2_4	0.0925	0.0031	0.0136	0.00034	0.0498	0.0013	89.8	2.9	87.1	2.1	158	38	215	170	7.6	87.1
RB2_3	0.0705	0.002	0.009896	0.000094	0.0509	0.0014	69.1	1.9	63.48	0.6	228	62	68.5	32.1	1.046	63.48
RB2_64	0.0661	0.0027	0.009621	0.00008	0.0502	0.0018	65	2.5	61.73	0.51	199	79	103	46	1.46	61.73
RB2_62	0.925	0.057	0.1007	0.0055	0.06429	0.00048	661	30	618	32	750	16	326	159.2	58.4	618
RB2_89	0.946	0.062	0.1014	0.006	0.06561	0.00045	678	32	622	35	793	15	503	330	110.7	622

Sample No. ZFP-1 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
ZFP1_15	0.389	0.0058	0.05198	0.00066	0.054	0.00013	333.5	4.2	326.6	4	371.1	5.6	542	380	68.4	326.6
ZFP1_6	0.462	0.013	0.05985	0.00094	0.05576	0.00089	385.5	9.1	374.7	5.7	439	35	34.75	19.68	3.642	374.7
ZFP1_4	0.525	0.014	0.0687	0.0017	0.05577	0.00024	429.3	9.4	428	10	443	9.4	451	114	22.5	428
ZFP1_20	0.548	0.015	0.0694	0.002	0.05692	0.00017	443	10	432	12	488.2	6.7	503	31.5	7.37	432
ZFP1_21	0.556	0.014	0.0709	0.0016	0.05703	0.00027	450.3	8.7	441.4	9.9	492	10	383	57.1	13.32	441.4
ZFP1_31	0.5656	0.0094	0.0716	0.0012	0.05707	0.00027	454.9	6.2	445.5	7	491.3	9	250	100	28.6	445.5
ZFP1_16	1.099	0.025	0.1183	0.0027	0.06734	0.00033	752	13	721	16	848	9.8	257.8	369	134	721
ZFP1_9	1.132	0.04	0.1214	0.0038	0.06693	0.00019	766	19	743	23	835.4	5.9	214	166	58.6	743
ZFP1_18	1.248	0.03	0.1321	0.0028	0.06773	0.00057	821	14	799	16	859	17	244	465	190	799
ZFP1_26	1.33	0.043	0.1432	0.0046	0.0674	0.00017	857	19	862	26	850	5.3	250	151	64.2	862
ZFP1_13	1.352	0.056	0.1436	0.0051	0.06739	0.00038	865	24	864	29	849	11	244	208	94	864
ZFP1_19	1.362	0.047	0.1456	0.0046	0.06749	0.0003	870	20	875	26	854.3	9.5	231	523	223	875
ZFP1_14	1.522	0.057	0.1477	0.0053	0.073	0.0017	937	23	887	30	1018	49	170	129	56	887
ZFP1_2	1.371	0.03	0.1477	0.0024	0.06711	0.00035	876	13	888	14	841	11	163	114	54.8	888
ZFP1_10	1.503	0.035	0.1596	0.0035	0.06826	0.00026	933	15	954	20	876.1	7.7	173	137	61.4	954
ZFP1_23	1.572	0.036	0.1643	0.0036	0.06898	0.00043	959	14	981	20	898	13	284	138	76	981
ZFP1_28	1.564	0.064	0.1651	0.0061	0.06801	0.00055	955	26	985	34	869	17	192	59.1	34	985
ZFP1_27	1.584	0.023	0.1652	0.0017	0.06949	0.00051	963.5	8.9	985.7	9.4	913	14	266	196	89	985.7

ZFP1_22	1.609	0.018	0.168	0.0018	0.069	0.00025	973.3	7	1000.8	9.8	898.6	7.5	286	212	101	898.6
ZFP1_11	1.649	0.032	0.174	0.0034	0.06868	0.00025	988	12	1034	18	888.9	7.6	216	22.3	10.6	888.9
ZFP1_12	1.75	0.026	0.1834	0.0023	0.06924	0.00029	1026.5	9.8	1085	13	905.5	8.6	273	22.4	10.65	905.5
ZFP1_30	4.489	0.076	0.28	0.0035	0.11625	0.00049	1728	14	1591	18	1899.3	7.7	220	119	129	1899.3
ZFP1_25	0.045	0.014	0.00418	0.00068	0.075	0.016	44	14	26.9	4.4	960	430	42	0.65	0.217	26.9
ZFP1_24	0.0336	0.0027	0.004256	0.000089	0.0564	0.0035	33.5	2.6	27.38	0.57	440	120	144	0.78	0.215	27.38
ZFP1_29	0.361	0.033	0.0437	0.0035	0.0596	0.0015	311	24	282	24	585	51	612	9.8	2.9	282
ZFP1_3	0.434	0.018	0.0527	0.0022	0.0586	0.002	365	12	331	13	534	64	551	108	23.6	331
ZFP1_5	0.43	0.019	0.0555	0.0023	0.056	0.00039	362	13	348	14	451	16	373	259	42.7	348
ZFP1_8	1.45	0.27	0.1182	0.0045	0.084	0.013	834	73	720	26	1000	160	257	178	79	720
ZFP1_1	1.52	0.07	0.1423	0.0063	0.0773	0.0014	936	28	857	35	1127	35	96	58.1	28.6	857

Sample No. P-3 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
P3L_42	0.5969	0.0041	0.07666	0.00059	0.05717	0.0003	475.3	2.6	476.2	3.6	498	11	308.6	484	116.3	476.2
P3L_43	0.662	0.018	0.0835	0.0021	0.05759	0.00017	515	11	517	12	514.1	6.4	452	558	145.5	517
P3L_11	1.115	0.015	0.121	0.0015	0.06655	0.0002	760.4	7.4	736.4	8.6	823.5	6.1	213	165	64.4	736.4

P3L_12	1.132	0.018	0.1213	0.0017	0.06763	0.00083	768.5	8.2	738.2	9.6	849	22	144	100	39.2	738.2
P3L_59	1.23	0.024	0.1331	0.002	0.06712	0.00068	814	11	805	12	841	21	101.6	74.4	34.7	805
P3L_58	1.248	0.019	0.1337	0.0016	0.06734	0.00056	821.9	8.3	808.8	9.1	847	17	68.6	50.6	22.9	808.8
P3L_30	1.292	0.027	0.1356	0.0027	0.06899	0.00023	841	12	819	15	898.3	7	243	349	152	819
P3L_4	1.307	0.032	0.1365	0.003	0.0698	0.0013	847	14	824	17	917	33	148.6	145	57.8	824
P3L_14	1.327	0.023	0.1389	0.0012	0.06889	0.0006	856.9	9.5	838.4	7	894	17	95.5	90.6	40.8	838.4
P3L_39	1.282	0.034	0.1394	0.0029	0.06668	0.00051	836	15	841	16	827	16	124	59.1	26.5	841
P3L_65	1.312	0.025	0.1394	0.0025	0.0684	0.00029	850	11	841	14	880.5	8.7	73.1	46.9	21.8	841
P3L_19	1.312	0.033	0.1398	0.0024	0.06772	0.00087	850	14	844	14	857	25	54.3	36.7	15.8	844
P3L_1	1.335	0.038	0.1405	0.004	0.06881	0.00024	859	16	847	22	892.8	7.2	227	241	100	847
P3L_13	1.366	0.025	0.1406	0.0016	0.06978	0.00095	874	10	847.7	9.2	913	24	66.4	60	29.1	847.7
P3L_49	1.318	0.018	0.1411	0.0014	0.06767	0.00045	853.2	7.7	850.8	8	858	14	73	63.6	31	850.8
P3L_47	1.445	0.026	0.1412	0.0014	0.07401	0.0008	907	11	851.6	7.8	1040	22	81.7	49.7	23.8	851.6
P3L_38	1.289	0.018	0.1415	0.0017	0.06663	0.00085	840.5	7.8	853.1	9.6	815	17	43.1	31.8	14	853.1
P3L_64	1.334	0.024	0.1416	0.002	0.06824	0.00027	860	10	854	11	875.6	8.1	92	58	31.2	854
P3L_36	1.315	0.014	0.14169	0.00096	0.0671	0.00046	852.2	6	854.2	5.4	840	14	49.4	27.3	12.54	854.2
P3L_2	1.343	0.034	0.1418	0.0034	0.06854	0.00021	863	14	855	19	884.8	6.2	213	181	80.2	855
P3L_62	1.355	0.032	0.1464	0.0033	0.06767	0.0006	868	14	880	19	852	15	139	61.8	31.4	880
P3L_57	1.397	0.02	0.1485	0.0018	0.06853	0.00042	887.4	8.1	892	10	879.4	8.2	145.1	93	42.47	892
P3L_15	1.694	0.047	0.1763	0.0051	0.06884	0.00031	1004	17	1046	28	893.5	9.3	161	65.5	36.6	893.5

P3L_5	1.422	0.013	0.1487	0.0013	0.06904	0.00023	897.8	5.5	893.7	7.1	899.8	7	95.4	64.2	29.09	893.7
P3L_29	1.402	0.023	0.149	0.0018	0.0686	0.00088	889.3	9.6	895	10	884	25	84.1	73.1	35.2	895
P3L_60	1.386	0.018	0.149	0.0014	0.0681	0.00023	882.8	7.5	895.4	7.7	871.4	7.1	89	52.1	25.7	895.4
P3L_50	1.454	0.058	0.1501	0.0038	0.0692	0.001	908	22	901	21	901	28	125	49.7	26.2	901
P3L_46	1.416	0.024	0.1517	0.0024	0.06782	0.00025	894.9	9.9	911	14	862.9	7.7	133	50.8	24.5	911
P3L_54	1.4	0.028	0.1524	0.003	0.06671	0.00022	891	12	914	17	828.5	6.7	223	96	50.6	914
P3L_52	1.52	0.1	0.1522	0.0093	0.07179	0.00038	949	37	918	53	980	11	248	310	176	918
P3L_6	1.686	0.032	0.1749	0.0029	0.07002	0.00033	1002	12	1039	16	928.5	9.7	185.7	196	99.2	928.5
P3L_20	1.479	0.068	0.1569	0.0066	0.06804	0.00042	919	28	939	37	869	13	202	78	40.2	939
P3L_48	1.462	0.034	0.157	0.0033	0.06791	0.0003	916	14	940	18	865.5	9	202	28.1	12.8	940
P3L_25	1.524	0.064	0.1581	0.0069	0.06934	0.0006	936	25	945	38	908	17	185	125	79	945
P3L_21	1.491	0.034	0.1581	0.0034	0.06814	0.00025	928	14	946	19	874.4	8.2	193	111	48.5	946
P3L_61	1.508	0.024	0.159	0.0027	0.06873	0.00039	933.1	9.6	951	15	890	12	86.7	52	26.4	951
P3L_35	1.758	0.042	0.181	0.0036	0.07099	0.00041	1029	16	1072	19	957	12	226	384	182	957
P3L_63	1.743	0.054	0.1782	0.0047	0.07107	0.00032	1025	20	1057	26	959.1	9.2	190	108	53.7	959.1
P3L_24	1.563	0.026	0.1618	0.0023	0.0697	0.00025	955	10	967	12	919.4	7.4	146.9	62.1	31.5	967
P3L_34	1.738	0.051	0.1778	0.005	0.07144	0.00055	1024	20	1054	27	969	15	216	71.2	36.5	969
P3L_33	1.593	0.033	0.1634	0.0032	0.07033	0.00041	968	13	975	18	937	12	103	160	74	975
P3L_23	1.594	0.047	0.1635	0.0044	0.07029	0.00033	966	18	976	24	936.5	9.6	197	97	45.3	976
P3L_44	1.579	0.055	0.1638	0.0045	0.06906	0.00058	959	22	977	25	896	16	294	103	48.6	977

P3L_31	2.032	0.056	0.2014	0.005	0.07285	0.00034	1124	19	1182	27	1009.3	9.5	194.5	53.3	30.2	1009.3
P3L_10	1.974	0.055	0.1945	0.0051	0.07318	0.00046	1111	18	1145	28	1018	13	227	54.7	30.8	1018
P3L_28	1.722	0.052	0.1722	0.0046	0.07246	0.00034	1017	19	1024	25	998.5	9.5	233	73.3	35.9	998.5
P3L_22	1.696	0.05	0.1719	0.0043	0.07115	0.00045	1005	19	1026	24	961	13	205	195	98.9	961
P3L_16	1.666	0.036	0.1727	0.0036	0.06936	0.0006	994	14	1027	20	908	18	163	76.9	38.1	908
P3L_56	1.795	0.04	0.1742	0.0027	0.07364	0.00073	1042	14	1035	15	1030	19	155	110.7	61.5	1030
P3L_18	2.039	0.046	0.2015	0.0039	0.07375	0.00038	1130	16	1183	21	1036	11	128.7	91	51	1036
P3L_17	2.045	0.039	0.2011	0.0036	0.07427	0.00024	1129	13	1181	19	1048.7	6.6	171.6	53.2	30.8	1048.7
P3L_66	2.164	0.034	0.212	0.0037	0.07443	0.00024	1169	11	1239	20	1053.9	6.4	299	71.4	43.7	1053.9
P3L_45	1.968	0.033	0.189	0.0032	0.07522	0.00028	1104	11	1116	18	1074.1	7.5	314.7	114	58.5	1074.1
P3L_40	2.826	0.019	0.2546	0.0018	0.08043	0.0003	1363	4.8	1462.2	9	1207.3	7.2	193.7	120.1	92.1	1207.3
P3L_8	2.665	0.056	0.2329	0.0045	0.08283	0.00022	1317	16	1349	24	1265	5.2	130.1	12.9	8.28	1265
P3L_9	2.607	0.034	0.2261	0.0026	0.0835	0.00025	1303	10	1314	14	1280.7	5.9	141.2	22.3	10.83	1280.7
P3L_27	5.88	0.31	0.367	0.017	0.11508	0.00095	1944	47	2008	80	1880	15	114.3	31.2	29.7	1880
P3L_7	7.72	0.23	0.458	0.014	0.1194	0.0011	2203	26	2428	64	1945	17	133	19.1	20	1945
P3L_55	8.59	0.28	0.396	0.012	0.1569	0.0012	2297	30	2151	54	2422	13	18.7	8.14	10.57	2422
P3L_32	9.35	0.2	0.4287	0.0067	0.15995	0.00058	2370	20	2299	30	2455	6.2	65	64.7	78.3	2455
P3L_41	8.33	0.37	0.368	0.011	0.1638	0.0025	2268	40	2019	52	2493	26	328	39.9	55.7	2493
P3L_51	14.43	0.15	0.6058	0.0059	0.1739	0.00026	2781.4	9.8	3053	24	2595.5	2.5	123.2	48.7	85.6	2595.5
P3L_37	19.87	0.12	0.7084	0.0054	0.20369	0.00051	3084.9	5.9	3452	20	2855.9	4	120.6	65.1	126	2855.9

P3L_53	1.928	0.044	0.1538	0.0037	0.0922	0.0021	1094	16	922	21	1462	45	247	210	119	922
P3S_8	0.532	0.023	0.0591	0.002	0.0652	0.0012	432	15	370	12	777	39	576	533	111	370
P3S_9	0.557	0.026	0.0705	0.003	0.05726	0.00025	448	17	439	18	501.3	9.3	553	732	148	439
P3S_2	0.6304	0.0066	0.0801	0.00072	0.05718	0.00039	496.3	4.1	496.7	4.3	493	11	188.3	193.9	43.6	496.7
P3S_50	0.687	0.014	0.0822	0.0016	0.06024	0.00038	530.5	8.3	509.2	9.8	612	13	429	361	64.7	509.2
P3S_46	0.674	0.018	0.0841	0.0021	0.05766	0.00022	522	11	520	13	516.6	8.2	495	42.2	12.3	520
P3S_1	0.6971	0.0065	0.08747	0.00083	0.05792	0.00015	537	3.9	540.5	4.9	526.5	5.7	335	165	42.1	540.5
P3S_34	0.712	0.019	0.088	0.0022	0.05843	0.00048	545	11	544	13	545	18	90	101	23.6	544
P3S_32	0.834	0.033	0.09025	0.00069	0.0667	0.0024	614	17	557	4.1	794	62	48.25	93.7	23.2	557
P3S_47	0.73	0.031	0.0904	0.0035	0.05799	0.00054	555	19	557	21	529	20	465	326	78	557
P3S_11	0.749	0.011	0.0922	0.0015	0.05872	0.0002	567.4	6.5	568.3	8.9	556.6	7.3	311.6	237	56.5	568.3
P3S_4	0.904	0.061	0.0947	0.0059	0.06855	0.00066	651	33	582	34	884	20	106.6	102	19.6	582
P3S_5	0.84	0.04	0.0965	0.0022	0.0628	0.0014	616	21	594	13	691	46	202	10.8	4.9	594
P3S_6	0.92	0.021	0.1084	0.0023	0.0618	0.00019	663	11	663	14	667.1	6.5	438	60.7	16.4	663
P3S_15	1.232	0.029	0.1247	0.0016	0.0718	0.0012	815	13	757.5	9	977	35	260.5	50.2	28.9	757.5
P3S_21	1.23	0.16	0.1249	0.0032	0.07	0.0054	802	52	759	18	900	100	189	606	188.1	759
P3S_17	1.161	0.037	0.1253	0.0014	0.0673	0.0018	775	10	760.8	8	819	28	25.2	12.33	4.44	760.8
P3S_39	1.142	0.013	0.1274	0.0016	0.06429	0.00017	773	6.2	772.9	9	751.1	5.4	325.4	207	63	772.9
P3S_18	1.262	0.022	0.1277	0.0025	0.073	0.0023	829	10	775	14	1005	64	26.1	11.43	4.66	775
P3S_52	1.402	0.041	0.1288	0.0024	0.07808	0.00099	891	18	784	15	1146	24	349	245	70.4	784

P3S_36	1.322	0.029	0.1314	0.0016	0.0728	0.0011	854	13	795.8	8.9	1004	30	152	352	118	795.8
P3S_13	1.159	0.095	0.133	0.01	0.06301	0.00053	782	45	800	56	707	18	133	44.1	14.4	800
P3S_29	1.311	0.038	0.1322	0.002	0.0715	0.0013	849	16	800	12	967	37	201	140	45	800
P3S_44	1.267	0.013	0.1336	0.0012	0.06811	0.00024	830.7	5.9	808.5	6.6	873.3	6.8	126.6	131.6	50.2	808.5
P3S_30	1.246	0.012	0.1337	0.0012	0.06718	0.00015	821.3	5.3	809	7	843.2	4.6	298	126	43.4	809
P3S_51	1.394	0.027	0.1393	0.0027	0.07231	0.00013	886	11	841	15	994.7	3.8	401	204	54.2	841
P3S_38	1.327	0.019	0.1403	0.0018	0.06818	0.00027	857.3	8.1	846	10	873.8	8.2	89.3	69.2	24.3	846
P3S_23	1.363	0.026	0.1444	0.0026	0.06812	0.00022	872	11	869	14	872.1	6.6	206	85.4	34.1	869
P3S_24	1.428	0.057	0.1488	0.0052	0.06859	0.00027	904	22	893	29	886.2	8.1	258	95.5	41.7	893
P3S_33	1.538	0.04	0.154	0.0026	0.0716	0.0011	945	16	923	15	972	30	152	127	59.3	923
P3S_45	1.491	0.026	0.156	0.0023	0.06839	0.00026	926	11	934	13	880.1	8	189	168.1	75.4	934
P3S_7	1.54	0.031	0.1596	0.0032	0.07011	0.00018	946	12	954	18	931.5	5.4	284	118	43.1	954
P3S_35	1.64	0.041	0.1627	0.004	0.07181	0.0006	985	16	971	22	980	17	48.2	46.5	20.3	971
P3S_37	1.627	0.029	0.1659	0.0025	0.07022	0.00029	982	11	992	14	934.5	8.6	213	60.5	27.8	992
P3S_27	2.105	0.035	0.2087	0.0031	0.07305	0.0002	1150	11	1222	16	1016.9	6.1	278	188	86.7	1016.9
P3S_42	2.154	0.032	0.211	0.0036	0.07313	0.00048	1169	10	1234	19	1017	13	189	62	40.1	1017
P3S_28	2.172	0.014	0.2143	0.0012	0.07314	0.00014	1171.9	4.6	1251.7	6.6	1017.7	3.8	248	150.4	74	1017.7
P3S_41	2.269	0.047	0.2195	0.0044	0.07424	0.00069	1202	15	1279	23	1047	19	48.2	50.5	22.6	1047
P3S_31	2.214	0.044	0.212	0.0031	0.07588	0.00064	1185	14	1239	16	1091	16	194	208	112	1091
P3S_48	1.803	0.022	0.1849	0.0022	0.07045	0.00017	1046.2	8	1093	12	941.3	4.9	220	3.75	0.971	941.3

P3S_40	1.875	0.077	0.176	0.0048	0.0765	0.0017	1071	27	1045	27	1105	41	234.1	39.5	21.5	1105
P3S_19	2.029	0.041	0.1915	0.0039	0.07699	0.00047	1124	14	1129	21	1122	13	184	105	49.9	1122
P3S_20	2.263	0.041	0.2124	0.0042	0.07714	0.00099	1200	13	1241	22	1123	25	326	59.5	32.44	1123
P3S_14	2.271	0.065	0.213	0.0048	0.07716	0.00049	1201	20	1244	26	1125	13	191	120	69.5	1125
P3S_25	2.054	0.084	0.189	0.0057	0.0785	0.0012	1132	27	1115	31	1158	30	196	65.1	16.5	1158
P3S_53	2.749	0.064	0.2375	0.0056	0.08378	0.00035	1340	18	1373	29	1287.3	8.2	252	134	49.6	1287.3
P3S_26	3.232	0.056	0.2714	0.0043	0.08541	0.00039	1464	13	1548	22	1324.7	8.8	150.8	158.6	100.7	1324.7
P3S_49	4.825	0.067	0.3296	0.0047	0.10575	0.00049	1788	12	1836	23	1727.1	8.4	74.3	111	38.7	1727.1
P3S_16	5.915	0.087	0.3252	0.0043	0.13221	0.00035	1962	13	1815	21	2127.5	4.6	139.4	45.8	42.6	2127.5
P3S_43	13.17	0.11	0.5642	0.0044	0.16835	0.00055	2693.1	7.8	2884	18	2541.2	5.4	117.3	55.6	75.3	2541.2
P3S_10	12.18	0.18	0.5212	0.0074	0.1698	0.00028	2617	14	2703	32	2555.7	2.8	74.2	47	57.2	2555.7
P3S_12	14.51	0.18	0.6101	0.0082	0.1731	0.00033	2782	12	3069	33	2587.8	3.2	129.2	97.8	146.5	2587.8

Sample No. SS-2 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
SS2_30	0.0023	0.00806	0.00014	0.39558	0.0505	0.0018	54.4	2.2	51.73	0.91	211	82	434.2	188	4.8	51.73
SS2_29	0.00078	0.008203	0.000065	0.44867	0.04842	0.00056	53.82	0.75	52.66	0.42	119	26	283	152.9	3.59	52.66

SS2_38	0.0041	0.008524	0.000066	0.27308	0.0587	0.0033	68.7	3.8	54.72	0.42	540	130	36.42	51.6	1.569	54.72
SS2_4	0.0019	0.00899	0.00017	0.49637	0.0495	0.0012	60.4	1.8	57.7	1.1	172	52	91.3	85	2.48	57.7
SS2_40	0.003	0.00913	0.00013	0.37105	0.051	0.0022	62.8	2.9	58.59	0.84	228	88	55	113	3.58	58.59
SS2_5	0.005	0.00918	0.00012	0.52445	0.0524	0.0029	67	4.7	58.92	0.77	270	100	124	126	3.73	58.92
SS2_6	0.0016	0.009318	0.000065	0.51529	0.049	0.0011	62.1	1.5	59.79	0.42	145	48	220	381	11.54	59.79
SS2_3	0.0021	0.00932	0.00012	0.56988	0.0575	0.0012	73	2	59.83	0.8	512	47	228	231	6.78	59.83
SS2_46	0.0014	0.00933	0.00014	0.46213	0.04844	0.0009	61.5	1.4	59.85	0.87	120	40	197	192	5.82	59.85
SS2_41	0.00072	0.009435	0.000099	0.71435	0.04744	0.00045	60.88	0.69	60.53	0.63	69	22	413	551	15.9	60.53
SS2_39	0.0024	0.00946	0.00022	0.60355	0.0489	0.0013	62.9	2.3	60.7	1.4	138	57	99	197	6.4	60.7
SS2_47	0.0023	0.00976	0.00032	0.60635	0.0489	0.0012	66	2.2	62.6	2	143	53	128.8	62	1.95	62.6
SS2_44	0.003	0.01	0.00012	0.53877	0.0521	0.0023	70.5	2.9	64.13	0.79	279	98	68.4	84.5	2.5	64.13
SS2_1	0.0013	0.010016	0.000077	0.44783	0.04826	0.00073	65.8	1.2	64.25	0.49	101	29	243.7	188.3	5.795	64.25
SS2_45	0.0044	0.01008	0.00025	0.84003	0.0557	0.002	76.7	4.1	64.7	1.6	415	79	129	102	3.55	64.7
SS2_43	0.0014	0.010154	0.000091	0.5551	0.04887	0.0006	67.4	1.3	65.12	0.58	140	29	319	323	11.4	65.12
SS2_42	0.0027	0.01085	0.00028	0.47875	0.0504	0.0013	73.9	2.6	69.6	1.8	192	48	200	230	7.66	69.6
SS2_36	0.0021	0.01454	0.0002	0.68465	0.0486	0.00078	94.9	1.9	93.1	1.3	128	36	80.1	47.1	2.82	93.1
SS2_7	0.0015	0.015058	0.000087	0.23087	0.04982	0.00067	100.2	1.4	96.34	0.56	183	31	167	117.8	5.62	96.34
SS2_35	0.0012	0.01532	0.00012	0.54681	0.04885	0.00052	99.9	1.1	98.03	0.75	135	25	157	78.5	5.16	98.03
SS2_9	0.0018	0.01618	0.00012	0.19961	0.0502	0.00082	108.8	1.7	103.46	0.73	202	38	101	71.4	3.61	103.46
SS2_8	0.0037	0.01639	0.0002	0.21861	0.0494	0.0016	107.3	3.3	104.8	1.3	157	65	44.5	23.18	1.325	104.8

SS2_37	0.002	0.01648	0.00029	0.83052	0.04821	0.00035	104.9	1.8	105.4	1.8	108	17	332	202	14.3	105.4
SS2_18	0.0091	0.0868	0.001	0.97183	0.05661	0.0002	527.8	5.5	536.3	6.1	476.2	7.6	482	161	51.9	536.3
SS2_19	0.027	0.0978	0.0033	0.99746	0.05722	0.00016	582	16	601	20	500.1	6.2	484	46	16.1	601
SS2_21	0.016	0.1471	0.0015	0.93993	0.06725	0.00031	877.4	7	886.6	7.6	845	9.6	156	392	158	886.6
SS2_10	0.02	0.1538	0.002	0.97084	0.0702	0.00026	926	8	922	11	933.9	7.7	71.1	165.1	78.2	922
SS2_22	0.016	0.159	0.0017	0.98396	0.06655	0.00016	915.3	6.8	951	9.4	823.5	4.9	185	327	145.5	951
SS2_11	0.046	0.1679	0.0035	0.73806	0.0712	0.001	988	17	1000	19	960	28	45.8	27.3	13.9	1000
SS2_28	0.096	0.2716	0.005	0.97507	0.09591	0.00085	1549	21	1548	25	1545	17	60.2	60.96	41.9	1545
SS2_27	0.031	0.2822	0.0028	0.89886	0.09994	0.00029	1617.5	6.7	1602	14	1622.9	5.5	72.1	91.7	68.6	1622.9
SS2_26	0.02	0.2853	0.0015	0.95466	0.09972	0.00019	1620.2	4.2	1617.7	7.5	1618.7	3.5	91.6	83.4	59.2	1618.7
SS2_24	0.12	0.2863	0.006	0.73768	0.1077	0.0018	1684	22	1622	30	1757	31	75	67.3	52.8	1757
SS2_25	0.078	0.305	0.0019	0.3259	0.1024	0.0019	1694	14	1715.9	9.4	1664	31	19.35	19.09	16.18	1664
SS2_23	0.073	0.3576	0.0047	0.97145	0.10055	0.00048	1815	13	1970	22	1635.4	9.1	26.78	11.67	9.81	1635.4

Sample No. KHL-4 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
KHL4S_39	0.03908	0.00081	0.00602	0.00011	0.04687	0.00025	38.92	0.79	38.71	0.7	43	12	1371	624	12.1	38.71
KHL4S_33	0.143	0.0016	0.02122	0.00016	0.04868	0.00035	135.7	1.4	135.4	1	131	17	371.5	384.7	24.61	135.4

KHL4S_71	0.3892	0.0062	0.05211	0.00071	0.05421	0.00025	333.7	4.5	327.5	4.4	379	10	279	147	24.1	327.5
KHL4S_13	0.416	0.0068	0.05612	0.00073	0.05375	0.00022	353	4.9	352	4.4	360.1	9.1	341	415	68.5	352
KHL4S_72	0.4349	0.0058	0.05788	0.00066	0.05426	0.00032	366.5	4.1	362.7	4	381	13	212	95.9	17.13	362.7
KHL4S_14	0.473	0.012	0.0621	0.0012	0.05431	0.00052	393.1	7.9	388.6	7.2	382	20	263	272	46.1	388.6
KHL4S_36	0.582	0.0076	0.0739	0.00081	0.05731	0.00029	466.6	4.5	459.6	4.9	503	11	266.8	153	31.4	459.6
KHL4S_1	0.618	0.018	0.0756	0.0019	0.05958	0.00042	490	12	470	11	587	15	299	41.9	18.6	470
KHL4S_54	0.599	0.019	0.0762	0.002	0.05702	0.0003	476	12	473	12	492	11	248	233	50.4	473
KHL4S_35	0.6082	0.0079	0.07642	0.00091	0.05753	0.00022	482.3	5	474.7	5.5	513.2	8.2	243	76.2	17.23	474.7
KHL4S_51	0.623	0.015	0.0773	0.0017	0.05771	0.00056	491.3	9.6	480	10	517	21	404	113	26.3	480
KHL4S_34	0.6222	0.0058	0.07948	0.00072	0.05671	0.00016	491.2	3.7	493	4.3	480.3	6.1	207	58.3	13.68	493
KHL4S_42	0.6302	0.0098	0.0805	0.0012	0.05656	0.00016	496	6.1	499.3	7.4	474.4	6.1	531	395	83.4	499.3
KHL4S_43	0.654	0.011	0.0834	0.0015	0.05655	0.00021	510.5	6.6	516.6	8.7	473.9	8	400	289	62.9	516.6
KHL4S_44	0.725	0.017	0.0916	0.0022	0.05713	0.00024	553.2	9.9	567	13	496.1	9.3	544	44.3	10	567
KHL4S_63	0.753	0.021	0.0927	0.0025	0.05906	0.00049	570	12	571	15	569	18	190	12.3	3.6	571
KHL4S_65	0.886	0.022	0.1046	0.0025	0.0614	0.00098	643	12	641	14	649	32	53.7	6.6	2.66	641
KHL4S_16	1.095	0.036	0.1184	0.0038	0.06684	0.00024	752	17	721	22	832.5	7.5	242	190	77.6	721
KHL4S_17	1.195	0.022	0.1229	0.0019	0.06985	0.00052	798	10	747	11	923	15	288	194	75.1	747
KHL4S_46	1.134	0.023	0.1233	0.0023	0.06706	0.00025	769	11	749	13	840.5	7.9	355	75	30.5	749
KHL4S_4	1.158	0.016	0.1239	0.0017	0.06745	0.00021	782.2	7.8	752.7	9.6	851.4	6.5	243	179	72	752.7
KHL4S_56	1.175	0.013	0.12602	0.00095	0.06712	0.00039	788.9	6.2	765.1	5.4	841	12	268.7	505	207.4	765.1

KHL4S_64	1.18	0.054	0.129	0.0057	0.06522	0.00089	790	25	782	33	780	28	125	209	59	782
KHL4S_58	1.194	0.039	0.1307	0.0042	0.0666	0.00021	801	19	791	24	825.2	6.6	250	223	81	791
KHL4S_61	1.215	0.01	0.13193	0.00096	0.06642	0.00024	807.3	4.8	798.8	5.5	819.4	7.4	196.4	233	85.4	798.8
KHL4S_55	1.301	0.024	0.1319	0.002	0.07071	0.00054	846	11	799	11	949	16	254	98	46.1	799
KHL4S_60	1.237	0.04	0.1323	0.0039	0.06743	0.00025	815	18	800	22	850.9	7.8	379	88	28.9	800
KHL4S_45	1.238	0.021	0.1343	0.0023	0.06645	0.00019	818.9	9.2	812	13	820.5	5.9	345	238	88.3	812
KHL4S_15	1.237	0.018	0.1349	0.0018	0.06655	0.00025	817.3	8.3	816	10	823.4	7.7	149	105	40.9	816
KHL4S_74	1.264	0.031	0.1375	0.0032	0.06632	0.00024	828	14	830	18	816.4	7.6	253	590	188	830
KHL4S_73	1.289	0.029	0.138	0.0031	0.06734	0.00029	840	13	833	18	848	8.8	363	1470	490	833
KHL4S_59	1.3	0.021	0.1385	0.0019	0.06731	0.00026	846.8	8.7	838	10	847.2	8	394	169	54	838
KHL4S_57	1.281	0.047	0.1392	0.0049	0.06667	0.00027	836	21	840	28	827.3	8.4	180	135	63	840
KHL4S_5	1.33	0.031	0.1413	0.003	0.0679	0.00049	860	14	852	17	865	15	188	127	56.1	852
KHL4S_49	1.309	0.012	0.1421	0.0012	0.06674	0.00027	849.7	5.3	856.5	6.7	829.5	8.3	112	222	85.7	856.5
KHL4S_53	1.33	0.018	0.1423	0.0021	0.06785	0.00021	858.5	7.8	857	12	863.8	6.4	326	723	254	857
KHL4S_68	1.362	0.03	0.1432	0.003	0.06811	0.00029	872	13	863	17	871.5	8.8	244.1	92.5	37.8	863
KHL4S_48	1.365	0.027	0.1485	0.0027	0.06665	0.00038	877	13	893	15	827	12	86.8	123	49.6	893
KHL4S_52	1.393	0.025	0.1492	0.0025	0.06739	0.00023	885	10	896	14	849.7	7.2	284	594	227	896
KHL4S_47	1.406	0.029	0.15	0.0021	0.0671	0.00048	891	12	901	12	840	14	74.1	101	40.3	901
KHL4S_18	1.435	0.077	0.1514	0.0051	0.0686	0.0011	901	32	908	28	884	33	192	121	56	908
KHL4S_70	1.47	0.024	0.1586	0.0024	0.06706	0.00028	917.5	9.9	949	13	839.5	8.8	281	657	290	949

KHL4S_69	1.681	0.036	0.1729	0.0023	0.07019	0.00048	1004	12	1028	13	933	14	87.9	57.5	25.5	933
KHL4S_30	2.172	0.025	0.2012	0.0019	0.07827	0.00049	1171.9	8	1182	10	1153	12	26.3	34.5	20.2	1153
KHL4S_31	2.157	0.023	0.1963	0.0018	0.07972	0.00054	1166.8	7.4	1155.5	9.7	1189	13	38.6	31.63	17.76	1189
KHL4S_9	1.929	0.092	0.1804	0.0073	0.07988	0.00081	1092	32	1068	40	1192	19	256	530	150	1192
KHL4S_66	12.21	0.25	0.545	0.011	0.1617	0.00052	2619	20	2801	45	2473.5	5.5	95.8	110	129.2	2473.5
KHL4S_67	13.49	0.29	0.596	0.013	0.16409	0.00032	2715	21	3020	53	2497.5	3	115	136	178	2497.5
KHL4S_12	18.49	0.61	0.518	0.015	0.258	0.0012	3009	33	2684	67	3234.4	7.3	91	46	61	3234.4
KHL4S_11	26.51	0.53	0.726	0.016	0.2639	0.0012	3363	20	3516	58	3272.2	7.4	107	69	120	3272.2
KHL4S_38	0.03917	0.00081	0.00602	0.00012	0.04698	0.00035	39.01	0.79	38.68	0.77	49	17	1360	514	10.13	38.68
KHL4S_37	0.0448	0.0036	0.00637	0.00023	0.0511	0.0027	44.5	3.4	40.9	1.5	230	110	1399	295	8.09	40.9
KHL4S_62	0.0558	0.0027	0.00819	0.00017	0.0492	0.0017	55.1	2.6	52.6	1.1	147	67	222	220	5.25	52.6
KHL4S_77	0.0594	0.0027	0.0084	0.00009	0.0515	0.0024	58.6	2.6	53.93	0.57	247	97	142.3	145	3.5	53.93
KHL4S_78	0.0572	0.0013	0.008413	0.000042	0.0488	0.00082	56.5	1.2	54.01	0.27	137	37	337	64.6	1.83	54.01
KHL4S_50	0.0587	0.0028	0.00852	0.00016	0.0503	0.0027	57.9	2.6	54.7	1	210	120	132	42.3	1.614	54.7
KHL4S_28	0.0621	0.0029	0.008865	0.000096	0.0505	0.002	61.2	2.7	56.9	0.62	200	81	127.2	131.9	3.66	56.9
KHL4S_29	0.0588	0.0014	0.008897	0.000082	0.0479	0.0011	58	1.3	57.1	0.52	97	48	117.1	93.4	2.62	57.1
KHL4S_23	0.0632	0.0014	0.0092	0.00017	0.05	0.0014	62.3	1.4	59	1.1	188	62	537	295	8.97	59
KHL4S_75	0.0653	0.0026	0.009253	0.000084	0.051	0.002	64.2	2.5	59.37	0.53	223	77	341	355	8.73	59.37
KHL4S_24	0.0645	0.0013	0.00926	0.00011	0.05056	0.00081	63.5	1.2	59.4	0.7	219	37	280	297	8.58	59.4
KHL4S_25	0.0632	0.0011	0.009502	0.000063	0.04816	0.00078	62.2	1.1	60.97	0.4	105	35	322	270	8.47	60.97

KHL4S_22	0.0664	0.00091	0.00974	0.00011	0.04956	0.00048	65.28	0.87	62.5	0.73	173	23	442	497	15.4	62.5
KHL4S_7	0.0754	0.0066	0.00983	0.00048	0.0538	0.0016	73.6	6.2	63	3.1	349	67	199	130	4	63
KHL4S_21	0.069	0.0014	0.01007	0.00012	0.04946	0.00073	67.7	1.3	64.58	0.76	168	35	282	320	9.7	64.58
KHL4S_8	0.0798	0.0039	0.01011	0.00022	0.0573	0.0028	77.9	3.7	64.8	1.4	480	100	71.8	86.3	2.54	64.8
KHL4S_19	0.0911	0.0092	0.01144	0.00073	0.0571	0.0021	88.4	8.5	73.3	4.6	493	76	581	10.79	4.09	73.3
KHL4S_40	0.1177	0.0074	0.01331	0.00026	0.0626	0.003	112.8	6.7	85.2	1.6	680	100	273	490	18.9	85.2
KHL4S_10	0.1026	0.0037	0.01443	0.0001	0.0516	0.0016	99.1	3.4	92.34	0.65	256	65	62.5	51.5	2.34	92.34
KHL4S_32	0.1482	0.0033	0.02139	0.00013	0.05	0.0011	140.3	2.9	136.44	0.82	173	30	399.3	347	23.2	136.44
KHL4S_2	0.1615	0.0055	0.02194	0.00029	0.0536	0.0018	152.9	5.1	139.9	1.8	353	77	26.6	11.1	0.874	139.9
KHL4S_3	0.1838	0.0093	0.02269	0.00032	0.0584	0.0025	170.9	7.9	144.6	2	514	86	50.4	40.9	3.23	144.6
KHL4S_26	0.291	0.018	0.0352	0.0018	0.0606	0.0025	258	15	223	11	598	78	39.9	14.9	2.47	223
KHL4S_27	0.3698	0.0083	0.0479	0.0011	0.05602	0.00077	319.2	6.1	301.5	6.5	450	29	232	269	38.8	301.5
KHL4S_20	0.65	0.038	0.0701	0.0042	0.06687	0.00036	511	23	437	25	833	11	344	195	68.8	437
KHL4S_6	0.923	0.041	0.0955	0.0022	0.0709	0.0014	663	22	588	13	951	39	250	81	32	588

Sample No. KHL-5 S. No.	Isotopic Ratios						Age (Ma)						Content (ppm)			Concordia % age
	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²³⁵ U	2σ	²⁰⁶ Pb/ ²³⁸ U	2σ	²⁰⁷ Pb/ ²⁰⁶ Pb	2σ	U	Th	Pb	
KHL5_71	0.04525	0.0005	0.006945	0.04525	0.04706	0.00023	44.94	0.49	44.61	0.39	52	12	66	13	0.13	44.61

KHL5_66	0.0564	0.0011	0.008636	0.0564	0.04722	0.00067	55.7	1	55.43	0.61	64	30	16	15	0.4	55.43
KHL5_60	0.1808	0.004	0.02602	0.1808	0.0504	0.0011	168.7	3.5	165.6	0.85	206	49	2.9	1.4	0.19	165.6
KHL5_44	0.382	0.014	0.0508	0.382	0.05396	0.00022	328	10	320	12	369.1	9.1	19	5.3	0.86	320
KHL5_19	0.4474	0.0082	0.0589	0.4474	0.05465	0.00042	375.3	5.8	368.6	7.6	397	17	12	4.2	0.83	368.6
KHL5_47	0.463	0.015	0.05944	0.463	0.0564	0.0016	386	10	372.2	4.1	457	55	2.6	0.89	0.22	372.2
KHL5_38	0.469	0.012	0.06004	0.469	0.05581	0.00098	387.4	6.4	375.8	2.8	440	37	6.6	7.1	0.96	375.8
KHL5_103	0.481	0.01	0.0614	0.481	0.05674	0.00022	398.7	6.9	384.1	7.1	481.2	8.7	38	0.96	0.24	384.1
KHL5_20	0.4727	0.0058	0.06276	0.4727	0.05396	0.00026	393	4	392.4	2.7	369	11	7.9	3.4	0.51	392.4
KHL5_121	0.492	0.011	0.0634	0.492	0.05617	0.00028	407	8.1	396.1	9.8	456	10	27	49	8.5	396.1
KHL5_53	0.476	0.004	0.06388	0.476	0.05389	0.00031	395.8	2.6	399.1	2.7	366	13	2.4	12	1.9	399.1
KHL5_43	0.486	0.016	0.0643	0.486	0.05477	0.00083	402	11	401	11	399	30	25	51	9.1	401
KHL5_37	0.5103	0.0068	0.06724	0.5103	0.05498	0.00034	418.5	4.5	419.5	4.2	411	14	47	74	14	419.5
KHL5_125	0.545	0.035	0.0674	0.545	0.05773	0.00044	438	24	420	27	511	13	88	370	20	420
KHL5_73	0.564	0.011	0.0724	0.564	0.05673	0.00023	454.1	7.4	450.6	7.7	480.6	8.9	23	14	3.6	450.6
KHL5_72	0.5836	0.0062	0.07405	0.5836	0.05695	0.00026	466.7	3.9	460.5	3.6	489.1	9.9	27	2.8	0.57	460.5
KHL5_108	0.5872	0.0094	0.0743	0.5872	0.05754	0.00013	469.8	5.8	462.2	6.2	512.1	5.1	110	0.97	0.19	462.2
KHL5_130	0.586	0.013	0.0744	0.586	0.05721	0.00017	468	8.6	462.6	9.9	500.6	6.3	19	93	13	462.6
KHL5_110	0.6227	0.0078	0.0793	0.6227	0.0569	0.00029	491.4	4.9	491.6	7.3	489	11	24	13	2	491.6
KHL5_126	0.6341	0.0046	0.07932	0.6341	0.05792	0.00024	498.6	2.9	492	2.8	526.6	9	31	1.2	0.17	492
KHL5_131	0.654	0.01	0.0824	0.654	0.05749	0.00026	510.5	6.3	511.5	8.8	509.9	9.9	100	2	0.28	511.5

KHL5_26	0.6763	0.0097	0.08419	0.6763	0.05797	0.00034	525.2	5.7	521.1	5.2	528	13	23	5.6	1.4	521.1
KHL5_109	1.02	0.018	0.1089	1.02	0.06703	0.0006	713.2	9	666	14	837	18	3.1	5.6	2.7	666
KHL5_55	1.088	0.015	0.1174	1.088	0.06711	0.00028	748.8	7.8	715.4	8.3	841	8.6	22	26	9.7	715.4
KHL5_77	1.157	0.015	0.1227	1.157	0.06747	0.00021	780.2	7	746	11	852	6.5	6.4	25	6.6	746
KHL5_4	1.146	0.023	0.1242	1.146	0.06687	0.00042	776	11	754	15	833	13	18	27	11	754
KHL5_58	1.15	0.021	0.1248	1.15	0.06633	0.00013	777	10	758	13	816.6	4.2	19	4	1.5	758
KHL5_74	1.144	0.036	0.1252	1.144	0.06634	0.00038	773	17	760	21	817	12	15	36	9.6	760
KHL5_117	1.188	0.019	0.1263	1.188	0.06849	0.00071	794.5	8.5	766.5	9.8	885	22	13	14	5.5	766.5
KHL5_114	1.203	0.05	0.1268	1.203	0.06862	0.00039	802	23	769	28	887	11	99	420	69	769
KHL5_6	1.201	0.022	0.127	1.201	0.06813	0.00055	800	10	771	13	868	15	9.8	19	7.2	771
KHL5_75	1.59	0.11	0.1284	1.59	0.0911	0.0064	963	41	778.4	8.2	1370	130	9.4	6.8	3.7	778.4
KHL5_105	1.194	0.024	0.1295	1.194	0.06727	0.0003	799	11	785	12	845.9	9.3	12	29	8.9	785
KHL5_115	1.221	0.024	0.1307	1.221	0.06779	0.00063	810	11	792	14	861	19	6.1	8.5	3.1	792
KHL5_92	1.214	0.016	0.1312	1.214	0.06684	0.00024	806.7	7.5	796	8.8	832.6	7.6	16	8.7	3.2	796
KHL5_80	1.225	0.016	0.1316	1.225	0.06733	0.00046	812.9	7.6	797	6.3	847	14	4.4	2.9	1.4	797
KHL5_31	1.233	0.021	0.132	1.233	0.06721	0.00038	815.4	9.5	801	9.5	844	12	13	6.1	1.9	801
KHL5_118	1.237	0.016	0.1328	1.237	0.06729	0.00023	817.3	7.2	803.7	9	846.6	7.1	12	12	4.8	803.7
KHL5_81	1.273	0.059	0.1331	1.273	0.0691	0.0011	831	26	804	44	901	31	17	49	19	804
KHL5_129	1.338	0.072	0.133	1.338	0.0736	0.0034	850	25	805	11	999	81	8.6	22	8.9	805
KHL5_30	1.309	0.031	0.1349	1.309	0.06984	0.00097	849	14	815	15	920	27	22	43	14	815

KHL5_120	1.298	0.021	0.135	1.298	0.06932	0.00029	844.5	9.3	816	13	908	8.4	110	48	16	816
KHL5_128	1.238	0.013	0.1351	1.238	0.06642	0.00025	817.8	5.9	816.7	7.6	819.5	7.7	8	2.2	0.79	816.7
KHL5_119	1.268	0.02	0.1357	1.268	0.06765	0.00029	830.8	8.8	820	11	857.6	8.9	19	72	26	820
KHL5_76	1.28	0.014	0.1359	1.28	0.06797	0.00016	836.5	6.2	821.2	7.5	867.5	4.9	53	29	11	821.2
KHL5_124	1.292	0.014	0.1362	1.292	0.06905	0.00032	841.9	6.4	823.3	7.4	900	9.4	91	44	18	823.3
KHL5_93	1.254	0.014	0.1363	1.254	0.06643	0.00022	824.8	6.4	823.8	8.3	819.7	6.8	8.2	6.4	2	823.8
KHL5_127	1.309	0.025	0.1365	1.309	0.0698	0.00051	849	11	825	12	922	15	110	110	38	825
KHL5_94	1.312	0.025	0.1377	1.312	0.06914	0.00082	854.1	8.2	831.6	7	901	24	7.6	20	7.4	831.6
KHL5_13	1.279	0.022	0.1399	1.279	0.06608	0.0002	835.9	9.6	844	13	808.8	6.5	14	15	4.7	844
KHL5_98	1.283	0.013	0.1403	1.283	0.06666	0.00025	839.3	6.1	846.3	9.1	827	7.7	10	1.7	0.69	846.3
KHL5_57	1.324	0.024	0.1419	1.324	0.06745	0.00035	855	10	855	13	851	11	21	73	24	855
KHL5_48	1.305	0.016	0.1421	1.305	0.06629	0.00021	847.6	6.9	856.7	7.9	815.2	6.7	16	11	4.2	856.7
KHL5_99	1.297	0.018	0.1424	1.297	0.06623	0.00019	845.4	7.6	858.1	9.7	813.5	5.8	7.1	2.1	0.46	858.1
KHL5_39	1.363	0.027	0.1425	1.363	0.0688	0.0013	872	11	858.8	6.9	888	36	11	13	5.3	858.8
KHL5_90	1.312	0.019	0.1429	1.312	0.06637	0.00023	850.4	8.4	861	11	818	7.3	12	7.9	2.8	861
KHL5_82	1.349	0.032	0.1436	1.349	0.06776	0.00052	866	14	865	21	860	15	28	100	32	865
KHL5_123	1.321	0.023	0.1436	1.321	0.06702	0.00023	854.3	9.9	865	13	838.3	7.1	16	15	5.2	865
KHL5_14	1.413	0.044	0.1441	1.413	0.0696	0.001	895	18	868	21	914	28	5.8	4.3	1.5	868
KHL5_21	1.352	0.026	0.1448	1.352	0.06687	0.00028	868	11	874	15	833.6	8.5	28	30	11	874
KHL5_56	1.432	0.025	0.1456	1.432	0.0709	0.0011	902	11	876	11	950	30	18	17	7.3	876

KHL5_100	1.379	0.017	0.1459	1.379	0.06793	0.00025	879.5	7.2	878	12	866.2	7.6	22	21	8.2	878
KHL5_7	1.377	0.016	0.1463	1.377	0.06743	0.00028	878.7	6.8	880.1	7.6	850.8	8.5	19	15	5.5	880.1
KHL5_122	1.354	0.028	0.1461	1.354	0.06799	0.00045	868	12	882	16	868	13	16	24	8.2	882
KHL5_3	1.347	0.019	0.147	1.347	0.06622	0.00022	867.3	8	883.9	9.5	813.2	6.8	20	7.5	1.9	883.9
KHL5_49	1.373	0.027	0.1476	1.373	0.06748	0.00029	877	11	887	16	852.4	9	24	12	4.7	887
KHL5_10	1.356	0.025	0.1485	1.356	0.06606	0.00018	871	11	892	16	808.1	5.6	4.3	3.2	2.2	892
KHL5_91	1.375	0.031	0.1486	1.375	0.06667	0.00032	879	13	893	17	827	10	21	9	3.1	893
KHL5_51	1.379	0.015	0.1496	1.379	0.06658	0.00041	879.8	6.6	898.8	6.4	824	13	3	8.9	3.7	898.8
KHL5_11	1.404	0.027	0.1496	1.404	0.06744	0.00044	890	11	899	14	851	14	18	54	19	899
KHL5_89	1.401	0.027	0.1496	1.401	0.06722	0.00042	890	12	899	15	844	13	14	20	7.2	899
KHL5_12	1.487	0.043	0.15	1.487	0.072	0.0016	923	17	901	11	977	44	29	62	25	901
KHL5_5	1.409	0.031	0.1508	1.409	0.06763	0.00028	892	13	905	19	856.9	8.6	16	15	5	905
KHL5_22	1.43	0.026	0.151	1.43	0.06795	0.00029	902	11	909	17	866.7	8.6	22	38	12	909
KHL5_15	1.402	0.023	0.1517	1.402	0.06698	0.00054	889.1	9.8	910	13	836	17	4.8	2.8	0.83	910
KHL5_50	1.403	0.021	0.152	1.403	0.06658	0.00039	889.7	8.8	912	11	826	11	4.4	6.3	2.9	912
KHL5_62	1.407	0.015	0.1528	1.407	0.06643	0.00028	891.6	6.5	916.7	7.1	819.6	8.9	13	16	6	916.7
KHL5_8	1.418	0.03	0.1529	1.418	0.06675	0.00036	895	13	917	22	829	11	56	23	8.6	917
KHL5_52	1.45	0.032	0.1531	1.45	0.06793	0.00038	909	13	918	17	866	11	24	17	6.1	918
KHL5_23	1.455	0.027	0.154	1.455	0.06776	0.0002	913	11	923	16	861.2	6	5.6	11	2.1	923
KHL5_24	1.68	0.085	0.1552	1.68	0.0787	0.0044	995	31	930	13	1140	100	21	24	8.6	930

KHL5_42	1.431	0.016	0.1558	1.431	0.06656	0.00029	903.4	7.2	933.4	6.7	823.8	9.2	7.2	5	2.6	933.4
KHL5_88	1.468	0.057	0.1566	1.468	0.06813	0.00069	914	23	937	29	871	20	14	17	7.3	937
KHL5_29	1.477	0.023	0.1573	1.477	0.06787	0.00039	921.9	9	942	14	864	12	17	43	15	942
KHL5_9	1.509	0.018	0.1605	1.509	0.06793	0.0002	933.6	7.2	961	11	866.4	5.9	56	34	12	961
KHL5_84	1.538	0.062	0.1633	1.538	0.06841	0.00056	946	24	974	32	880	17	19	11	4.5	974
KHL5_83	1.558	0.034	0.1651	1.558	0.06821	0.00024	953	14	985	20	874.8	7.3	38	51	20	985
KHL5_28	10.15	0.21	0.4502	10.15	0.16273	0.00089	2453	18	2402	32	2483.9	9.1	6.2	5.1	5.3	2483.9
KHL5_27	12.18	0.23	0.5285	12.18	0.16599	0.00083	2616	18	2734	38	2517.3	8.3	6.3	5.4	6.4	2517.3
KHL5_70	0.0448	0.00048	0.006758	0.0448	0.048	0.00032	44.49	0.47	43.42	0.31	98	16	98	4.2	0.26	43.42
KHL5_69	0.04439	0.00046	0.006828	0.04439	0.04692	0.0003	44.1	0.44	43.87	0.38	46	14	55	81	1.5	43.87
KHL5_96	0.0531	0.0025	0.00806	0.0531	0.0479	0.0023	52.5	2.4	51.75	0.57	102	97	2.2	0.9	0.038	51.75
KHL5_95	0.0552	0.0028	0.00827	0.0552	0.049	0.0024	54.6	2.7	53.1	1.3	150	100	3.4	24	0.33	53.1
KHL5_107	0.0641	0.0042	0.00846	0.0641	0.055	0.0033	63	3.9	54.31	0.68	360	110	21	10	0.25	54.31
KHL5_64	0.0585	0.0019	0.00848	0.0585	0.0498	0.0014	57.7	1.8	54.43	0.81	180	59	8.5	7.8	0.17	54.43
KHL5_68	0.0574	0.0017	0.00859	0.0574	0.0479	0.0008	56.6	1.6	55.15	0.82	92	35	15	16	0.33	55.15
KHL5_106	0.0744	0.0046	0.00865	0.0744	0.0625	0.0035	72.8	4.3	55.53	0.8	660	110	4.8	15	0.43	55.53
KHL5_2	0.079	0.014	0.00884	0.079	0.0627	0.0085	77	13	56.73	0.89	550	210	13	8.5	0.48	56.73
KHL5_111	0.0657	0.0047	0.00891	0.0657	0.0533	0.0031	64.5	4.5	57.2	1.1	320	130	21	86	1.9	57.2
KHL5_102	0.0596	0.001	0.00896	0.0596	0.04832	0.00052	58.8	1	57.49	0.73	113	25	29	30	0.64	57.49
KHL5_67	0.0601	0.0016	0.00904	0.0601	0.04853	0.00083	58.9	1.4	58	1.1	123	38	19	18	0.46	58

KHL5_113	0.063	0.0016	0.009186	0.063	0.0498	0.0012	62	1.5	58.95	0.39	181	54	5.7	4.1	0.16	58.95
KHL5_18	0.0787	0.0088	0.00934	0.0787	0.0602	0.0055	76.5	8	59.96	0.94	510	150	6.3	10	0.23	59.96
KHL5_16	0.08	0.01	0.00953	0.08	0.0591	0.0058	77.4	9.1	61.1	1.1	390	120	13	7.5	0.18	61.1
KHL5_97	0.0759	0.0042	0.00955	0.0759	0.0594	0.0042	74.2	4	61.3	0.99	540	150	2.1	1.7	0.042	61.3
KHL5_112	0.0621	0.0041	0.00959	0.0621	0.0468	0.0025	61.1	3.9	61.5	2.3	50	110	1.6	3	0.072	61.5
KHL5_17	0.08	0.008	0.00988	0.08	0.0579	0.005	77.8	7.3	63.4	1	440	150	12	6.3	0.14	63.4
KHL5_87	0.087	0.012	0.00992	0.087	0.0627	0.007	84	11	63.6	1.7	570	170	6.1	9.7	0.36	63.6
KHL5_45	0.069	0.0016	0.01001	0.069	0.04971	0.00083	67.7	1.5	64.2	1.1	185	40	18	31	1.1	64.2
KHL5_85	0.087	0.015	0.0102	0.087	0.0578	0.0072	83	13	65.4	2	390	220	4.6	9.1	0.31	65.4
KHL5_46	0.086	0.013	0.01031	0.086	0.0562	0.004	83	11	66.1	1	400	120	9	2.9	0.16	66.1
KHL5_78	0.071	0.0019	0.01058	0.071	0.0484	0.0011	69.6	1.8	67.86	0.73	119	50	3	7.1	0.17	67.86
KHL5_34	0.083	0.0017	0.01254	0.083	0.0485	0.0012	81	1.6	80.36	0.72	122	55	17	4.6	0.22	80.36
KHL5_116	0.0944	0.0037	0.01311	0.0944	0.0525	0.0019	91.5	3.4	83.96	0.81	287	73	8.2	13	0.52	83.96
KHL5_33	0.0974	0.0041	0.01312	0.0974	0.0532	0.0022	94.3	3.8	84	1.3	308	83	49	150	6.4	84
KHL5_36	0.1078	0.0027	0.01528	0.1078	0.0512	0.0014	103.9	2.5	97.78	0.68	238	58	2.6	3.9	0.12	97.78
KHL5_101	0.436	0.065	0.0476	0.436	0.0641	0.0053	355	45	299	27	620	130	14	1.8	0.38	299
KHL5_41	0.419	0.018	0.0528	0.419	0.0574	0.0019	354	13	331.7	8.5	488	63	1.2	2.1	0.32	331.7
KHL5_104	0.457	0.015	0.0558	0.457	0.05832	0.00042	382	10	350	13	541	15	50	130	8.7	350
KHL5_54	0.608	0.057	0.0593	0.608	0.0743	0.007	474	35	371.4	2.7	900	180	1.9	28	2.5	371.4
KHL5_25	0.56	0.033	0.064	0.56	0.0654	0.0044	449	22	400	24	730	110	36	17	4.7	400

KHL5_63	0.525	0.043	0.06431	0.525	0.0593	0.0042	426	26	401.8	5.6	540	110	1	0.58	0.11	401.8
KHL5_40	0.603	0.049	0.0686	0.603	0.0635	0.0048	474	28	427.7	5.3	599	92	1.4	0.3	0.12	427.7